

UNIQUID	NAME	GWEIGHT	GORDER	0HR	15MIN	30MIN	1HR	2HR	4HR	6HR	8HR	12HR	16HR	20HR	24HR	UNSYN	30MINC	1HRC	2HRC	4HRC	0HRC	UNSYNC	EWEIGHT			
361771	EST W95909	1	517	0	-0.47	-3.32	-0.81	0.11	-0.6	-1.36	-1.03	-1.84	-1	-0.6	-0.94								0.01	0.01	0.01	
487537	SID487537	H.sapiens mRNA for selenoprotein P	1	516	0	0.66	0.07	0.2	0.29	-0.89	-0.45												0.01	0.01	0.01	
486735	SID486735	Human peptidyl-prolyl isomerase and essential mitotic regulator (PIN1) mRNA, complete cds	1	515	0	0.14	-0.04	0	-0.15	-0.58	-0.3	-0.18	-0.38	-0.49	-0.81	-1.12	0.06	-0.29	0.04	-0.36			0.01	0.01	0.01	
417426	Homo sapiens protein 4.1-G mRNA, complete cds	1	514	0	-0.04	0	-0.23	-0.25	-0.47	-0.6	-0.23	-0.25	-0.47	-0.6	-0.94								0.01	0.01	0.01	
469959	SID469959	EST AA029909	1	513	0	0.28	0.37	0.11	-0.17	-0.18	-0.6	-0.23	-0.58										0.01	0.01	0.01	
381721	SID381721	EST AA059077	1	512	0	0.54	0.53	0.16	0.14	0.2	-0.34	-0.38	-0.36										0.01	0.01	0.01	
471855	SID471855	Lumican	1	511	0	0.2	0.14	0	0.11	-0.34	-0.03	0.04	-0.76	-0.81	-1.12								0.01	0.01	0.01	
486757	EST AA180272	1	510	0	0.4	0.43	0.18	0	-0.14	0.29	0.07	-0.79	-0.81	-0.92	-1.22								0.01	0.01	0.01	
417593	Carnitine palmitoyltransferase I (CPTI)	1	509	0	0.01	0.46	0.28	-0.34	-0.23	-0.36	-0.45												0.01	0.01	0.01	
50922	EST H19324	1	508	0	-0.23	0.04	0	-0.3	-0.29	-0.45	-0.97	-2.06	-0.89	-1.22	-0.97								0.01	0.01	0.01	
254433	SID254433	Homo sapiens oligodendrocyte-specific protein (OSP) mRNA, complete cds	1	507	0	0.16	-0.12	0.01	-0.22	-0.22	-0.51	-0.69	-1.47	-1.43	-1.51	-1.4	-0.47	-0.22	-0.2	-0.27	-0.42	-0.42		0.01	0.01	0.01
469235	Ribosomal protein L5	1	506	0	0.3	0.28	-0.07	-0.3	-0.14	-0.2	-0.42	-1.32	-0.89	-0.94									0.01	0.01	0.01	
417617	EST W89018	1	505	0	-0.06	0.25	0.11	-0.36	-0.71	-0.92	-0.89	-1.56	-0.71	-0.97									0.01	0.01	0.01	
272538	Homo sapiens clone 23785 mRNA sequence	1	504	0	-0.45	-0.23	-0.43	-0.69	-0.81	-1.09													0.01	0.01	0.01	
80727	Human protein tyrosine kinase t-Ror1 (Ror1) mRNA, complete cds	1	503	0	-0.6	-1.03	-0.76																0.01	0.01	0.01	
161862	EST H28360	1	502	0	-0.03	-0.29	-0.18	-0.29	-0.18	-1.06	-1.56	-1	-0.1	-0.71	-0.42								0.01	0.01	0.01	
49165	SID49165	EST H16592	1	501	0	0.01	-0.3	-0.36	-0.64	-0.17	-1.12	-1.94	-0.97	-0.49									0.01	0.01	0.01	
346851	EST W78151	1	500	0	0.11	0.23	0.04	0.06	0.07	-0.38	-1.18	-0.64	-0.43	-0.18	-0.58								0.01	0.01	0.01	
35516	SID35516	H.sapiens mRNA for cyclin G1	1	499	0	-0.22	-1.09	-0.94	-0.38	-1.06	-1.25	-1.64											0.01	0.01	0.01	
48316	Homo sapiens mRNA for KIAA0623 protein, complete cds	1	498	0	-0.3	-1.03	-0.42	-0.29															0.01	0.01	0.01	
147744	Cyclin-dependent kinase inhibitor 1C (p57, Kip2)	1	497	0	-0.47	-0.92	-0.6	-0.22	-0.81														0.01	0.01	0.01	
281493	SID281493	GLUTAMATE RECEPTOR 1 PRECURSOR	1	496	0	-0.25	-0.54	-0.54	-0.54														0.01	0.01	0.01	
299673	SID299673	Homo sapiens clone 23645 mRNA sequence	1	495	0	-0.14	-0.22	-0.45	0.19														0.01	0.01	0.01	
197549	SID197549	EST R87731	1	494	0	-0.12	-0.3	-0.3	0.01	-0.51	-0.81	-1.15	-1	-0.4									0.01	0.01	0.01	

0.84 -0.69 -0.1 -0.2 -0.17 -1.03 -0.71 -0.09 -0.03
162059 SID162059 ESTs, Moderately similar to ATP-BINDING CASSETTE TRANSPORTER 2 [Mus musculus]
1 493 0 -0.03 -0.64 -0.42 0.21 -0.42 -0.86 -1.84 -1.36 -0.43 -0.67 -0.81 -0.86 0.14 0.19 -
0.12 0.46 -0.12 -1
236277 SID236277 EST H61274 1 492 0 0.41 -0.32 0.18 0.38 0.01 -0.15 -0.92 -0.92 -0.17 -
0.18 -0.42 -0.09 0.55 0.1 0.53 0.3 -0.07 -0.34
277996 SID277996 EST N63445 1 491 0 0 -0.43 -0.07 -0.07 -0.17 -0.45 -0.84 -1.36 -0.32 -
0.47 -0.84 -0.51 -0.22 -0.14 -1.09 -0.62 -0.38 -0.2
343585 EST W69445 1 490 0 0.2 -0.09 -0.22 0.24 0.1 -0.62 -0.79 -0.94 -0.38 -0.43 -0.27
-0.22 0.01 0.16 -0.06 -0.17 -0.1 -0.47
41963 EST R60336 1 489 0 -0.4 -0.04 -0.34 -0.79 -1.03 -0.74 -1.43 -1.25 -0.01 -0.56 -0.89
-0.89 0.2 -0.34 -1.18 -0.6 -0.34 -0.86
284101 EST N53427 1 488 0 -0.2 -0.03 -0.25 -0.18 -0.79 -1 -1.09 -1.29 0.28 -0.81 -0.62
-0.76 -0.03 -0.32 -0.79 -0.62 0.34 -0.58
49385 SID49385 EST H15535 1 487 0 -0.12 -0.32 -0.43 -0.58 -0.76 -0.86 -1.22 -1.06 -0.4 -
0.23 -0.56 -0.86 0 -0.4 -1.4 -0.54 -0.23 -0.49
42225 EST R60731 1 486 0 -0.36 -0.29 -0.3 -0.56 -0.97 -1.12 -1.15 -1.43 -0.12 -0.45 -0.4
-1.03 -0.09 -0.54 -1.15 -0.47 -0.2 -0.74
366789 Fibromodulin 1 485 0 -0.22 -0.58 -0.34 -0.43 -0.69 -0.97 -0.94 -0.94 -0.17 -0.51 -0.38
-1.09 -0.29 -0.54 -1.51 -0.6 0.31 -0.92
362385 SID362385 EST AA018444 1 484 0 -0.03 -0.45 0.11 -0.09 -0.47 -0.64 -0.81 -0.81 -
0.1 -0.38 -0.36 -1.06 0.31 0.24 0.62 0.9 0.52 -0.23
470785 EST AA031778 1 483 0 0.06 0.01 -0.3 -0.07 -0.67 -0.54 -0.69 -1.03 -0.01 -0.03 -
0.27 -0.94 -0.56 0.03 -0.64 -0.62 0.26 -0.06
37021 SID37021 EST R49183 1 482 0 -0.07 -0.07 0 -0.06 -0.56 -0.71 -0.92 -1.09 -1.12 -
0.27 -1.22 -0.84 0.38 -0.15 -0.14 -0.29 -0.45 -0.49
417469 Catalase 1 481 0 0.32 -0.03 -0.38 -0.03 -0.84 -0.81 -0.97 -1.32 -0.84 -0.69 -0.43 -
0.69 -0.2 0.04 -0.54 -0.49 0.08 -0.69
416134 SID416134 EST W86006 1 480 0 -0.17 -0.32 -0.56 -0.2 -0.6 -0.76 -0.86 -1 -0.74 -
0.67 -0.51 -1 0.01 -0.25 -0.43 -0.38 0.41 -1.64
484622 SID484622 Homo sapiens clone 24636 mRNA sequence 1 479 0 0.4 -0.01 -0.36 -0.03 -
0.74 -0.74 -0.62 -1.09 -0.92 -0.97 -0.84 -1.06 -0.38 0.14 -0.76 -0.54 -0.03 -1
242151 EST H93791 1 478 0 0.04 -0.27 -0.56 0.1 -0.23 -0.62 -0.32 -0.62 -0.69 -0.67 -0.6
-0.81 -0.07 -0.07 -0.34 -0.09 -0.09 -0.86
429723 EST AA011682 1 477 0 -0.71 -0.54 -0.86 -0.74 -1.03 -1.51 -1.51 -2.06 -1.51 -1 -
0.81 -0.97 -0.76 -0.47 -1.47 -1.03 -0.29 -1.36
36133 EST N75026 1 476 0 -0.07 0.41 0.4 -0.34 -0.89 -0.81 -1.51 -1.47 -1 -1.15 -1.06 -
0.81 0.61 0.25 -0.06 -0.45 -0.06 -0.42
44991 EST H05133 1 475 0 -0.56 0.08 -0.01 -0.79 -1.25 -2.18 -2.32 -1.84 -1 -0.97 -0.92
-1.64 0.2 -0.27 -0.94 -0.29 0.03 -1.22
273926 SID273926 EST N38765 1 474 0 -0.09 -0.07 -0.22 -0.6 -0.74 -1.06 -1.15 -1.06 -0.89 -
0.89 -0.56 -0.86 -0.23 -0.51 -1.32 -1.4 -1.03 -1.22
381064 SID381064 EST AA057433 1 473 0 -0.29 -0.23 -0.29 -0.42 -0.86 -0.81 -1.43 -1 -
0.49 -0.92 -0.62 -1.03 -0.15 -0.17 -1.6 -0.69 -0.3 -0.51
284240 SID284240 EST N52170 1 472 0 -0.3 -0.18 -0.54 -0.36 -0.79 -1 -1.32 -0.92 -0.47 -
1.22 -0.62 -0.76 -0.27 -0.17 0.12 -0.74 -0.76 -1.09
142824 EST R71462 1 471 0 0.11 0.36 0.21 -0.01 -0.56 -0.67 -1.4 -1.32 -0.43 -0.86 -0.92
-0.94 0.44 0.25 0.04 -0.14 -0.12 -0.94
42629 SID42629 EST R60996 1 470 0 -0.23 0.14 0.03 -0.25 -0.56 -0.34 -1.69 -1.47 -0.4 -
0.94 -0.79 -1.06 0.21 0.12 -0.1 -0.4 -0.4 -1.03
29185 Homo sapiens mRNA for KIAA0623 protein, complete cds 1 469 0 -1.12 -0.29 -0.47 -1 -
1.25 -1.43 -1.84 -2.32 -1.09 -1.32 -0.89 -1.18 -0.3 -0.49 -1.36 -1.25 -0.17 -1.36
112383 Homo sapiens GBAS (GBAS) mRNA, complete cds 1 468 0 -0.3 0.29 0.11 -0.32 -0.56 -
0.49 -0.94 -1.18 -0.49 -0.58 -0.34 -0.3 0.11 -0.27 -0.79 -0.56 0 -0.3

43006 SID43006 EST R59736 1 467 0 -0.97 -0.45 -0.06 -0.25 -0.38 -0.51 -1.89 -1.22 -0.67 -1.64 -1.32 -1.15 -0.03 -0.22 -0.92 -0.25 -0.4 -1.43

281146 SID281146 EST N50955 1 466 0 -0.29 -0.07 0.03 -0.43 -0.23 -0.43 -0.89 -0.62 -0.49 -1.22 -0.86 -0.74 0.33 0.04 0.1 -0.29 -0.32 -0.25

209758 Membrane metallo-endopeptidase (neutral endopeptidase, enkephalinase, CALLA, CD10) 1 465 0 0.3 0.04 -0.01 0.04 -0.2 -0.67 -0.86 -1.25 -0.79 -1 -0.49 -1.32 0.37 -0.1 -0.56 -0.29 0.07 -1.32

131285 SID131285 EST R24284 1 464 0 -0.32 -0.6 -0.47 -0.43 -0.56 -0.97 -1.74 -1.47 -1.22 -1.69 -1.56 -1.84 -0.18 -0.49 -0.74 -0.25 -0.29 -1.69

208960 SID208960 Dipeptidylpeptidase IV (CD26, adenosine deaminase complexing protein 2) 1 463 0 -0.12 -0.4 -0.51 -0.1 -0.22 -0.69 -1 -0.62 -0.84 -0.81 -0.92 -1.32 -0.06 -0.09 0.46 -0.71 -0.25 -1.94

150390 EST H01236 1 462 0 -0.45 0.39 -0.23 -0.17 -0.74 -0.81 -1.29 -1.29 -0.81 -1.22 -1.32 -1.79 0.14 -0.04 0.01 0.39 0.25 -1.56

298662 EST N74313 1 461 0 -0.09 -0.01 -0.36 0.1 -0.74 -0.81 -1.56 -1.47 -0.94 -1.22 -1.4 -1.43 -0.29 -0.14 -0.18 -0.64 -0.54 -1.69

223141 EST H85971 1 460 0 0.04 -0.14 -0.36 -0.38 -0.56 -0.94 -1.12 -1 -0.62 -0.64 -0.74 -1.29 -0.27 -0.43 -1 -0.84 -0.62 -1.22

365899 Fibrillin 2 1 459 0 0.01 -0.1 -0.23 -0.34 -0.58 -1.15 -1.09 -1.18 -1.29 -1.4 -1.22 -1.74 0.21 -0.18 -0.49 -0.62 0.01 -2.25

471642 Laminin, alpha 2 (merosin, congenital muscular dystrophy) 1 458 0 -0.22 -0.23 -0.09 -0.58 -0.36 -0.64 -1.15 -0.92 -1.06 -1.12 -1.32 -1.56 0 -0.25 -1.15 -0.6 -0.47 -1.56

328683 Annexin III (lipocortin III) 1 457 0 -0.27 -0.62 -0.54 -0.97 -0.67 -0.76 -1.29 -1.64 -0.97 -1.47 -1.32 -1.36 -0.47 -0.4 -0.94 -0.49 -0.51 -1.18

257009 SID257009 EST N26801 1 456 0 -0.51 -0.4 -0.23 -0.71 -0.47 -0.45 -1.18 -1.09 -0.69 -0.81 -0.94 -1.32 -0.03 -0.36 -0.54 -0.94 -0.64 -1.29

484576 Cellular retinoic acid-binding protein 2 1 455 0 0.15 0.07 -0.49 -0.27 -0.47 -0.54 -0.56 -0.74 -0.47 -0.6 -0.81 -1.51 -0.29 0.04 -0.47 -0.69 0.07 -1.79

417300 H factor (complement)-like 1 1 454 0 -0.06 0.26 0.06 -0.4 -0.17 -0.34 -0.27 -0.67 -0.32 -0.45 -0.81 -1.03 -0.15 -0.12 -0.49 -0.54 -0.27 -0.84

415669 SID415669 EST W84708 1 453 0 0 0.08 0.03 -0.09 0.06 -1.12 -0.84 -0.25 -0.34 -0.81 -0.69 -0.89 -0.06 -0.25 -0.29 -0.18 -0.36 -0.2

415621 Squalene epoxidase 1 452 0 0.03 0.08 -0.42 -0.01 -0.62 -1.12 -1.69 -1.94 -1.56 -2.06 -1.89 -2.12 -0.27 0.07 -0.42 -0.42 0.52 -2.18

469999 EST AA029996 1 451 0 -0.1 0.26 -0.3 -0.04 -0.36 -0.54 -0.67 -1.29 -1.29 -1.64 -1.6 -1.79 -0.22 0.2 -0.1 -0.17 0.29 -1.15

307220 EST N95180 1 450 0 0.04 -0.71 -0.4 0.04 -0.47 -0.71 -1.03 -1.51 -1.43 -1.79 -1.84 -1.47 -0.38 -0.2 -0.45 -0.27 -0.12 -1.43

345904 EST W72188 1 449 0 0.06 -0.2 -0.09 -0.06 -0.32 -0.6 -0.79 -1.22 -0.89 -1.18 -0.97 -0.92 -0.3 -0.25 -0.6 -0.58 -0.67 -0.71

415636 Wingless-type MMTV integration site 2, human homolog 1 448 0 -0.1 -0.58 -0.54 -0.69 -0.42 -0.89 -1.25 -1.43 -0.94 -1.79 -2 -1.74 -0.25 -0.4 -0.58 -1.18 -0.42 -1.79

229535 SID229535 EST H66595 1 447 0 -0.03 -0.18 -0.58 -0.43 -0.64 -1.22 -1.64 -2.18 -2.06 -2 -1.12 -2.18 -0.1 -0.06 -0.74 -0.67 -0.25 -2.12

510206 Asparagine synthetase 1 446 0 -0.18 -0.38 -0.54 -0.32 -0.84 -1.32 -1.47 -2.18 -2.32 -2.06 -1.12 -1.94 -0.36 -0.42 -0.97 -0.84 -0.15 -2.25

375527 Mesoderm specific transcript (mouse) homolog 1 445 0 0 -0.06 0.28 0.14 -0.07 -0.56 -1.22 -1.12 -1.03 -0.86 -0.79 -1.06 0.36 0.08 -0.17 -0.23 0.07 -1.18

415303 SID415303 Human mRNA for KIAA0018 gene, complete cds 1 444 0 0.01 0.04 0.1 0.08 -0.23 -0.62 -1.15 -1.22 -1.56 -1.22 -1 -1.22 0.31 -0.18 0.06 -0.22 0.32 -1.06

347007 SID347007 EST W79450 1 443 0 -0.04 0.29 0.16 -0.25 -0.09 -0.43 -0.84 -0.97 -1.12 -0.84 -1.12 -0.81 0.43 0.01 -0.03 -0.56 -0.49 -1.09

209731 SID209731 EST H52219 1 442 0 0.39 0.54 0.58 0.46 -0.1 -0.4 -0.69 -0.76 -0.71 -1.03 -0.84 -1.15 0.7 0.2 0 0.63 -0.09 -0.86

485025 EST AA037718 1 441 0 0.24 -0.45 -0.27 -0.34 -0.71 -1.36 -2.06 -2.56 -1.4 -1.51 -1.4
-1.18 -0.14 -0.36 -0.89 -1.12 -0.43 -1.4

360233 SID360233 EST AA012996 1 440 0 -0.1 -0.38 -0.25 -0.43 -0.6 -1 -1.51 -1.69 -
0.94 -1.22 -1.18 -1.36 -0.14 -0.2 -0.27 -0.69 -0.32 -1.15

270519 MAC30 (differentially expressed in meningiomas) 1 439 0 -0.14 -0.12 -0.3 -0.45 -0.97 -1.47
-1.74 -2.12 -1.43 -1.64 -1.47 -1.32 -0.09 -0.3 -0.74 -0.76 0.6 -1.74

305890 Thymosin beta-4 1 438 0 0.11 -0.25 -0.07 -0.09 -0.29 -0.76 -0.89 -2.06 -1.03 -1.06 -
0.67 -1.29 -0.07 -0.04 -0.38 0.04 1.56 -1.25

265343 EST N20862 1 437 0 -0.18 -0.22 -0.58 -0.47 -0.27 -0.89 -1 -1.56 -1.15 -1 -1.09
-1.22 -0.43 0.06 0.29 -0.45 -0.64 -1.36

377600 Spectrin, beta, non-erythrocytic 1 1 436 0 0.08 0 0.03 0.1 0.21 -0.56 -1.03 -1.32 -
0.86 -0.29 -0.14 -0.64 -0.12 0.67 -0.27 -0.27 0.01 -0.03

376951 SID376951 EST AA047641 1 435 0 0.4 0.34 -0.2 0.06 0.07 -0.3 -0.94 -1.22 -
0.54 -0.51 -0.54 -0.45 0.15 -0.01 -0.23 -0.62 -0.45 -0.84

366364 SID366364 EST AA025786 1 434 0 0.15 0.04 -0.4 -0.32 -0.74 -0.94 -1.15 -1.64 -
1.6 -0.97 -0.71 -0.81 -0.2 0.03 -0.64 -0.86 0.12 -1.32

510196 3-HYDROXY-3-METHYLGLUTARYL-COENZYME A REDUCTASE 1 433 0 -0.43 -0.07 -
0.17 -0.45 -1.47 -2.32 -2.18 -2.4 -2.12 -2.64 -2.4 -1.84 -0.71 -0.1 -0.07 -0.07 0.96 -1.22

486055 SID486055 Cytochrome P450 IB1 (dioxin-inducible) 1 432 0 -0.3 -0.1 -0.42 0.24 -0.89
-1.69 -1.56 -2.12 -1.69 -1.47 -1.47 -0.92 -0.32 -0.2 0.1 1.1 0.79 0.62

489084 EST AA057199 1 431 0 0.07 -0.06 -0.03 -0.2 -0.89 -1.69 -1.69 -1.29 -1.06 -1.47 -
1.47 -1.32 0.08 -0.43 -1.43 -1.79 -0.86 -1.89

488130 SID488130 EST AA047419 1 430 0 0.11 0.56 0.55 0.03 -0.79 -1.03 -1.03 -0.67 -
0.58 -0.81 -0.69 -0.67 0.06 0.76 0.55 1.01 0.72 -0.38

418128 SID418128 Homo sapiens ring finger protein (FXR) mRNA, complete cds 1 429 0 0.38 0.34
0.1 0.07 -0.64 -1.25 -1.06 -0.71 -0.51 -0.79 -0.81 -0.25 0.24 0.28 0.12 -0.15 0.25 -0.3

485930 EST AA040147 1 428 0 0.07 0.34 -0.22 0.06 -0.71 -1.03 -0.86 -0.94 -0.79 -0.71 -
0.84 -1.18 -0.49 0.03 -1.15 -1.12 -0.56 -1.56

472082 EST AA036947 1 427 0 0.21 0.26 -0.1 -0.22 -1.03 -1.15 -0.92 -1.15 -0.84 -0.64 -
0.64 -0.97 -0.23 0.01 -1.03 -0.79 0.01 -0.74

272110 EST N32165 1 426 0 0.07 0.18 0.01 -0.38 -1.22 -1.6 -0.97 -1.03 -0.74 -1 -0.54
-0.34 0.34 0.18 -0.23 0.03 0.85 0.43

487008 Homo sapiens HMG box containing protein 1 mRNA, complete cds 1 425 0 -0.23 0.1 0.07 -
0.27 -0.76 -1.36 -0.71 -0.58 -0.86 -0.54 -0.54 -0.47 -0.07 -0.47 -0.38 -0.42 -0.29 -0.58

343119 SID343119 EST W67250 1 424 0 0.12 -0.12 0.16 0.21 -0.92 -1.06 -0.51 -0.76 -0.89 -
1.25 -1.29 -0.49 0 0.58 1.14 1.9 0.8 0.96

469822 Alpha-1 type 3 collagen 1 423 0 0.26 0.28 -0.3 -0.3 -0.54 -0.97 -1.09 -0.84 -1.22 -
0.47 -0.42 -1.84 -0.04 0.28 -0.84 -0.74 -0.42 -1.43

287028 SID287028 Homo sapiens cAMP-specific phosphodiesterase 8A (PDE8A) mRNA, partial cds 1 422 0
0.16 0.06 0.03 -0.34 -0.38 -0.97 -1.03 -0.54 -0.71 -0.23 -0.01 -1.84 0.19 0.04 -0.47 -0.58 -0.15
-1.6

365251 SID365251 EST AA024914 1 421 0 -0.07 -0.36 0.01 -0.23 -0.18 -0.89 -1.22 -0.81 -
0.81 -0.54 -0.43 -1.09 0.03 -0.09 -0.27 -0.14 0.1 -0.81

21829 SID21829 EST T65590 1 420 0 -0.51 0.64 0.31 -0.34 -0.43 -1.03 -0.94 -1.25 -0.64 -
0.58 -0.62 -1.32 0.26 -0.22 -0.92 -0.58 -0.32 -1.74

265868 SID265868 EST N21470 1 419 0 -0.47 -0.25 -0.4 -0.34 -0.2 -1 -0.89 -1.15 -0.51 -
0.84 -0.36 -1.47 -0.32 -0.38 -0.29 -0.23 -0.07 -1.56

470429 Homo sapiens mRNA for putative progesterone binding protein 1 418 0 -0.04 -0.27 0.12 0.01
0.14 -0.54 -0.71 -0.54 -1.03 -0.6 -0.42 -1.6 0.07 -0.06 -0.04 -0.07 -0.07 -1.32

429919 Human mRNA for DB1, complete cds 1 417 0 0.16 0.71 0.24 -0.4 -0.32 -0.69 -0.79 -
1.09 -0.74 -0.86 -1.03 -0.2 0.2 -0.18 -0.15 -0.15 -0.34 -0.29

488488 Brain-expressed HHCPA78 homolog [human, HL-60 acute promyelocytic leukemia cells, mRNA, 2704 nt]
1 416 0 1.01 -0.03 0.11 0.07 -1.12 -1 -0.32 0.58 0.93 0.93 0.9 0.06 -0.27 -0.14 -0.36
-0.3 0.68 2.83

359769 Brain-expressed HHCPA78 homolog [human HL-60 acute promyelocytic leukemia cells mRNA 2704 nt]
1 415 0 0.32 -0.3 -0.67 0.07 -1.15 -0.97 -0.58 0.5 0.86 0.49 0.67 0.43 0.2 -0.04 0.08
-0.23 0.41 2.27

470008 SID470008 Homo sapiens thyroid receptor interactor (TRIP7) mRNA, 3' end of cds 1 414 0 0.23
-0.69 -0.38 -0.17 -0.79 -0.71 -0.58 0.04 0.66 0.42 0.64 0.31 -0.07 -0.27 -1.03 -0.56 -0.01 1.65

357806 SID357806 ESTs, Highly similar to HYPOTHETICAL 9.8 KD PROTEIN ZK652.3 IN CHROMOSOME III
[Caenorhabditis elegans] 1 413 0 -0.03 -0.81 -0.2 -0.47 -1.15 -1.06 -0.4 -0.54 0.15 0.1 0.28
0.15 -0.17 -0.45 -1.43 -0.86 0.33 0.08

320281 EST W04611 1 412 0 -0.22 -0.38 -0.04 -0.27 -0.97 -0.51 -0.29 -0.22 0.29 0.7 0.75
0.82 -0.23 -0.09 -0.74 -0.2 0.15 0.7

22883 Homo sapiens GDP-L-fucose pyrophosphorylase (GFPP) mRNA, complete cds 1 411 0 -0.4 -0.49
-0.34 -0.84 -1 -1.03 -0.67 0.18 -0.07 0.28 0.36 0.23 -0.17 -0.29 0.07 -0.43 -0.32 -0.04

135900 EST R33609 1 410 0 0.01 -0.62 0.14 -0.1 -1.18 -1.51 -1.43 -0.34 0.1 0.01 -0.2 -
0.36 -0.27 -0.12 -1 1.11 0.2 1.59

376316 WEE1-LIKE PROTEIN KINASE 1 409 0 0.01 -0.23 -0.03 -0.25 -2 -2 -1.89 -0.97
-0.22 -0.17 0.24 0.15 -0.04 0.16 0.14 0.6 -0.27 0.72

344314 Human ATPase, DNA-binding protein (HIP116) mRNA, 3' end 1 408 0 -0.04 -0.38 -0.12 -0.14
-0.94 -1.32 -1.36 -0.09 0.03 0.38 0.56 0.21 -0.14 -0.22 -0.86 -0.51 -0.49 0.01

486513 EST AA042944 1 407 0 -0.15 -0.76 -1.18 -0.64 -1.6 -2.12 -1.6 -0.79 -0.09 -0.49 -
0.47 -0.17 -0.18 -0.51 -0.64 -1.22 -0.18 -0.56

346311 SID346311 EST W74140 1 406 0 -0.3 -0.67 -0.38 -0.06 -1.15 -1.29 -1.06 -0.62 -0.54 -
0.29 0.01 -0.18 -0.17 0.08 -0.04 0.21 0.24 -0.23

243387 EST N38985 1 405 0 -0.04 -0.89 -0.42 -0.23 -1.09 -1.06 -1 -0.74 -0.38 -0.27 -0.27
-0.29 -0.3 -0.2 -1.15 -0.74 0.11 -0.51

290050 EST N64669 1 404 0 -0.51 -0.94 -0.51 0.01 -1.12 -1.36 -0.76 -0.76 -0.45 -0.43 -0.54
-0.22 -0.27 -0.06 -0.54 -0.45 -0.2 -0.62

22144 EST T72562 1 403 0 -0.36 -0.67 -0.51 -0.2 -1.03 -0.89 -0.42 -0.29 -0.32 -0.22 -0.06
-0.45 -0.17 -0.3 -1.29 -0.64 -0.27 -0.27

285946 SID285946 EST N66534 1 402 0 0.08 -0.71 -0.23 -0.2 -0.84 -0.62 -0.43 -0.4 0.14 -
0.15 -0.23 0.19 -0.06 -0.18 -0.79 -0.25 0.12 0.21

52705 SID52705 Homo sapiens clones 24622 and 24623 mRNA sequence 1 401 0 0.12 -0.12 -0.38
0.01 -0.47 -0.18 -0.45 -0.32 0.18 0.15 -0.03 -0.15 0.07 -0.12 -0.36 -0.36 -0.04 0.01

38783 EST R51510 1 400 0 -0.09 -0.69 -0.58 -0.51 -0.47 -0.1 -0.25 -0.12 0.28 0.08 0.28
-0.04 0.18 -0.09 -0.71 -0.29 0.19 0.42

149477 SID149477 EST H00168 1 399 0 -0.17 -0.47 -0.81 -0.01 -0.51 -0.69 -1.09 -0.69 0.01 0
0.26 -0.62 -0.12 -0.69 -0.92 -0.76 -0.54 -0.38

365087 SID365087 EST AA024606 1 398 0 -0.07 -0.38 -0.74 0.06 -0.25 -0.3 -0.69 -0.43
0.11 0.26 0.3 -0.1 -0.32 -0.23 -1.43 -1.15 0.01 -0.36

41302 Homo sapiens mRNA for KIAA0643 protein, partial cds 1 397 0 -0.12 -0.71 -0.84 -0.3 -0.45
-0.58 -0.58 -0.79 -0.29 0.24 0.16 -0.17 -0.09 -0.22 -0.84 0.15 -0.15 0.01

236188 SID236188 EST H62361 1 396 0 -0.04 -0.56 -0.27 -0.25 -0.06 -0.74 -0.79 -0.51 -0.36 -
0.12 0.1 -0.92 0.25 0.04 0.07 -0.15 -0.36 -0.23

149188 Human syntaxin 7 mRNA, complete cds 1 395 0 -0.03 -0.69 -0.4 -0.1 -0.49 -0.74 -1 -
0.2 -0.22 0.18 0.14 -0.6 0.21 0.23 -0.34 -0.18 -0.4 -0.79

208950 SID208950 Aldehyde dehydrogenase 10 (fatty aldehyde dehydrogenase) 1 394 0 -0.29 -1.74 -
0.81 -0.36 -0.56 -0.94 -1.56 -1.22 -0.27 -0.22 0.08 -0.47 -0.04 -0.12 -0.54 -0.27 -0.17 -0.86

53347 Meis1 (mouse) homolog 1 393 0 -0.34 -1.47 -1 -1.03 -0.56 -1.15 -1.4 -1.47 -0.43 -
0.15 -0.49 -0.89 -0.6 -0.58 -0.92 -0.07 -0.29 -0.76

33059 E3 UBIQUITIN-PROTEIN LIGASE (NEDD-4) protein 1 392 0 -0.64 -1.36 -1.4 -0.42 -0.42
-0.76 -1.12 -1.25 0.11 0.39 0.43 -0.17 -0.67 -0.4 -1.32 0.43 -0.06 0.78

32915 SID32915 EST R43729 1 391 0 -0.09 -0.89 -0.6 -0.76 -0.56 -0.32 -0.36 -0.74 -0.17
0.21 0.18 0.1 -0.25 -0.29 -1.18 -0.64 -0.42 -0.18

297161 Coagulation factor II (thrombin) receptor 1 390 0 -0.15 -0.18 -0.62 0.39 0.06 -0.12 -0.4
-0.58 -0.03 0.14 0.1 0.49 -0.04 -0.06 -0.3 -0.06 0.52 -0.38

429074 SID429074 EST AA005169 1 389 0 -0.23 -0.4 -0.15 -0.54 -2.12 -1.51 -1.56 -1.84 -0.86 -1.12 -0.97 -0.36 -0.45 0 -1.18 -0.54 0.37 -0.4

364715 SID364715 Homo sapiens thrombospondin 3 (THBS3) gene, complete cds 1 388 0 0.03 -0.09 -0.18 -0.03 -1.36 -1.15 -1.29 -1.47 -0.76 -0.89 -0.81 -0.45 -0.17 -0.01 -0.64 -0.54 0.04 -0.79

281745 SID281745 EST N51744 1 387 0 -0.06 -0.45 -0.6 -0.07 -1.56 -2.06 -2.47 -1.47 -0.64 -0.84 -0.84 -1.09 -0.29 0.06 -0.45 -0.6 0.44 -0.92

357297 Mast/Stem cell growth factor receptor 1 386 0 0.23 0.04 -0.01 -0.36 -1.74 -2.64 -2.64 -2.4 -0.56 -0.6 -0.64 -1.09 0.33 -0.15 -1.03 -1.4 0.31 -1.32

221898 SID221898 EST H83658 1 385 0 -0.09 0.2 -0.15 -0.04 -0.58 -0.94 -1.03 -1 -0.23 -0.09 0.01 -0.58 0.2 0.06 -1.12 -1 -0.17 -0.1

278241 SID278241 EST N63574 1 384 0 -0.22 -0.01 -0.04 -0.49 -0.69 -1.03 -1.09 -1.12 -0.49 -0.49 -0.2 -0.6 0.23 0.04 -0.64 -0.38 0.39 -0.64

300323 EST N79778 1 383 0 0.14 -0.29 -0.18 -0.27 -0.92 -1.18 -1.6 -1.09 -0.22 -0.49 -0.45 -0.79 -0.42 -0.36 -0.97 -0.43 -0.09 -0.69

277895 SID277895 EST N64209 1 382 0 0.1 -0.32 -0.38 0 -0.86 -1.03 -1.36 -1.29 -0.38 -0.58 -0.38 -0.62 -0.22 -0.15 -0.51 -0.51 -0.18 -0.62

291387 SID291387 EST N72289 1 381 0 0.07 -0.36 -0.49 -0.23 -0.62 -1.12 -1.22 -1.18 -0.43 -0.25 -0.3 -0.54 -0.2 0.08 -0.42 -0.03 0.55 -0.94

345643 Homo sapiens LIM domain binding protein (LDB1) 1 380 0 -0.23 0 -0.15 -0.38 -0.74 -1.43 -1.74 -0.94 -0.06 -0.45 -0.47 -0.15 -0.3 -0.2 -0.45 -0.25 -0.4 0.12

363103 High-mobility group (nonhistone chromosomal) protein 2 1 379 0 0.12 -0.17 -0.14 -0.69 -1.03 -1.6 -1.64 -1.15 -0.29 -0.64 -0.58 -0.25 -0.14 -0.27 -0.56 0.16 -0.09 0.51

347736 ESTs, Highly similar to alpha-adducin [H.sapiens] 1 378 0 0.33 -0.17 -0.03 -0.09 -0.79 -1.06 -1.03 -0.81 -0.27 -0.64 -0.51 -0.47 0.26 -0.22 -0.42 -0.89 -0.2 -0.64

376973 Human Bruton's tyrosine kinase-associated protein-135 mRNA, complete cds 1 377 0 0.1 -0.4 -0.3 -0.2 -1.03 -1.09 -1.06 -0.81 -0.36 -0.6 -0.69 -0.22 -0.38 -0.27 -0.69 -0.76 -0.17 -0.56

487962 Human B4-2 protein mRNA, complete cds 1 376 0 0.34 -0.03 0.32 -0.17 -1.56 -2.25 -2.18 -1.74 -0.81 -1.06 -0.97 -0.71 0.18 0.29 0.69 1.18 -0.34 -0.62

366848 EST AA029451 1 375 0 -0.15 -0.25 0.04 -0.6 -0.74 -1.32 -1.29 -1.15 -0.67 -0.69 -0.58 -0.64 0.07 0.18 0.2 -0.71 -0.23 -0.89

160605 SID160605 EST H25014 1 374 0 0.01 -0.18 -0.03 -0.51 -1.25 -1.79 -1.94 -1.64 -0.94 -0.94 -0.43 -0.64 -0.14 -0.27 -0.79 -0.1 0.55 -0.38

209655 Transforming growth factor, beta receptor III (betaglycan, 300kD)) 1 373 0 0 0.24 0.4 0.19 -0.18 -1.74 -1.74 -1.25 -0.71 -0.79 -0.38 -1.06 0.19 0.12 0.45 0.34 -0.69

323555 SID323555 FYN oncogene related to SRC, FGR, YES 1 372 0 0.07 -0.03 -0.01 0.23 -0.22 -1.15 -1.47 -1.4 -0.69 -0.56 -0.14 -0.84 0.08 -0.22 -0.42 -0.01 0.04 -0.71

429409 SID429409 EST AA007609 1 371 0 0.07 0.19 -0.14 0.08 -0.64 -1.12 -1.4 -1.4 -0.56 -0.84 -0.74 -0.76 0.01 -0.38 -0.64 -0.29 0.1 -1.22

471535 SID471535 Human lipid-activated, protein kinase PRK2 mRNA, complete cds 1 370 0 0.03 0.33 0.29 0.18 -0.42 -0.84 -1.03 -1.03 -0.32 -0.23 -0.49 -0.12 0.01 -0.18 -0.27 -0.07 -0.03 -0.47

357488 Human mRNA for KIAA0188 gene, partial cds 1 369 0 -0.34 -0.45 -0.45 -0.18 -0.47 -1.6 -1.36 -1.6 -0.6 -0.64 -0.56 -0.6 -0.04 -0.25 -0.34 -0.04 0.84 -0.27

362009 SID362009 ESTs, Highly similar to GROWTH ARREST AND DNA-DAMAGE-INDUCIBLE PROTEIN GADD153 [Homo sapiens] 1 368 0 0.34 0.21 0.31 -0.15 -0.14 -0.47 -0.64 -0.54 -0.56 -0.3 0.29 -0.47 0.4 0.37 0.2 -0.01 0.28 -0.38

509633 SID509633 ESTs, Moderately similar to Kryn [M.musculus] 1 367 0 -0.04 0.03 0.23 -0.38 -0.09 -0.92 -1.09 -0.79 -0.07 -0.14 -0.32 -0.29 0.63 -0.29 -0.1 -0.18 -0.38 -0.45

381722 SID381722 EST AA059074 1 366 0 -0.03 -0.3 -0.15 -0.18 -0.56 -1.4 -1.29 -0.79 -0.81 -0.23 -0.03 -0.79 0.18 0.1 -0.09 -0.27 0.33 -0.25

290479 SID290479 EST N67978 1 365 0 0.39 -0.12 0.23 0.04 -0.18 -0.84 -1.03 -0.69 -0.3 0.06 0.14 -0.23 0.4 0.12 -0.07 -0.2 0.18 -0.01

429311 EST AA007439 1 364 0 -0.14 -0.71 -0.42 -0.47 -0.29 -1.25 -1.4 -1.36 -0.76 -0.2 -0.3 -0.67 0.03 -0.34 -0.64 -0.15 0.28 -0.71

50073 SID50073 EST H17482 1 363 0 -0.54 -0.64 -0.89 -0.45 -1 -1.12 -2.06 -1.94 -0.25 -

0.54 -0.67 -0.94 -0.49 -0.32 -1.74 -0.51 -0.14 -0.64

309231 SID309231 ESTs, Moderately similar to zinc finger protein [R.norvegicus] 1 362 0 0.08 -0.25
-0.1 -0.15 -0.54 -1.18 -1.32 -1.43 0.11 -0.62 -0.4 -0.43 -0.01 -0.17 -0.45 -0.67 -0.25 -0.14

343397 AH-receptor 1 361 0 0.06 -0.12 -0.27 -0.15 -0.43 -0.92 -1.32 -1.09 -0.03 -0.3 -0.15
-0.71 -0.07 0.25 0.56 1.21 1.05 0.61

429515 EST AA011388 1 360 0 -0.38 -0.84 -0.58 -0.47 -0.64 -1.12 -1.32 -1.56 -0.45 -0.64 -
0.64 -0.76 -0.2 -0.3 -0.76 -0.71 0 -0.49

328922 SID328922 EST W45465 1 359 0 -0.04 -0.58 -0.36 -0.34 -0.76 -1.22 -1.64 -1.43 -0.4 -
0.64 -0.94 -1.06 -0.51 -0.4 -0.71 -0.07 -0.01 -0.84

430337 EST AA010624 1 358 0 -0.12 -0.15 -0.34 -0.15 -0.84 -1.32 -1.47 -1.09 -0.51 -0.47 -
0.74 -1 -0.49 -0.01 -0.54 -0.04 0.3 -0.74

284642 Aminolevulinate, delta-, synthase 2 (sideroblastic/hypochromic anemia) 1 357 0 -0.1 -0.71 -0.4
-0.09 -1.25 -1.94 -2.32 -1.69 -0.51 -0.43 -0.4 -0.29 0.11 0.03 -0.17 -0.2 0.33 -0.43

280659 SID280659 EST N50448 1 356 0 -0.15 -0.56 -0.09 -0.2 -0.56 -1 -1.47 -1.29 -0.36 -
0.54 -0.3 -0.22 -0.03 0.2 -0.14 0 0.14 -0.58

272155 SID272155 EST N31484 1 355 0 -0.03 -0.79 -0.01 0.11 -0.76 -1.15 -1.94 -1.18 -0.4 -
0.18 -0.22 0.4 0.04 -0.14 -0.45 -0.34 -0.29 -0.17

278125 SID278125 Dihydropyrimidine dehydrogenase 1 354 0 0.2 -0.27 -0.2 0 -0.18 -0.58 -
1.12 -1.4 0 -0.06 -0.06 0.03 0.11 -0.1 -0.18 0.03 0 0.23

45747 EST H08856 1 353 0 -0.03 -0.23 -0.74 -0.2 -0.84 -1.12 -1.6 -1.94 -0.6 -0.69 -0.2 -
0.17 -0.38 -0.38 -1.79 -0.94 -0.12 -0.71

359045 EST W92305 1 352 0 0.37 -0.17 -0.49 -0.15 -0.79 -1.09 -1.36 -1.94 -0.62 -0.29 -
0.27 -0.04 -0.14 0.06 -0.76 -0.42 0.06 -0.45

209321 Damage-specific DNA binding protein 2 (48 kD) 1 351 0 -0.29 -0.2 -0.1 -0.1 -0.54 -0.79 -
1.47 -1.79 -0.58 -0.49 -0.09 -0.1 0.03 0.08 -0.45 0 0.36 -0.38

34346 SID34346 Human mRNA for KIAA0203 gene, complete cds 1 350 0 0.01 -0.23 0.16 -0.15 -
0.4 -0.89 -1.15 -1.64 -0.36 -0.62 -0.32 -0.12 0.01 0.11 -0.34 -0.47 -0.09 -0.47

297604 SID297604 EST N69835 1 349 0 -0.09 -0.32 -0.36 -0.49 -0.74 -1.18 -1.43 -1.6 -0.69 -
0.74 -0.81 -0.29 -0.4 -0.38 -0.81 -0.71 -0.38 -0.43

487308 EST AA045506 1 348 0 -0.34 -0.56 -0.42 -0.29 -1.22 -1.51 -1.32 -1.69 -0.51 -0.76 -
0.47 -0.3 -0.25 -0.51 -1.51 -0.25 0.07 -0.58

429010 TISSUE FACTOR PATHWAY INHIBITOR PRECURSOR 1 347 0 -0.4 -0.54 -0.15 -0.2 -
0.94 -0.97 -1.03 -1.51 -0.3 -0.4 -0.25 0.15 -0.62 -0.34 -1.06 -0.22 0.12 -0.27

357348 SID357348 EST W93502 1 346 0 -0.23 -0.49 -0.51 -0.14 -1.09 -0.6 -1.25 -1.56 -0.38 -
0.36 -0.27 -0.03 -0.25 0.01 -0.17 -0.32 0.07 0.42

380425 SID380425 Adducin 3 (gamma) 1 345 0 0.11 -0.18 -0.3 0.04 -0.64 -0.89 -1.18 -1.36 -
0.45 -0.43 -0.04 0.07 0.19 -0.2 -0.22 -0.09 0.54 -0.42

417030 SID417030 EST W87769 1 344 0 0.23 -0.42 -0.54 -0.27 -0.56 -0.92 -0.67 -1.03 -0.67 -
0.6 -0.06 -0.17 -0.12 -0.45 -0.64 -0.6 -0.1 -0.62

299290 SID299290 EST N75545 1 343 0 0.12 -0.45 -0.36 0.01 -0.76 -0.84 -0.67 -0.74 -0.25 -
0.36 -0.22 -0.04 -0.01 0.06 -0.2 -0.17 0.19 -0.25

365756 SID365756 Human mRNA for CMP-sialic acid transporter, complete cds 1 342 0 0.44 -0.01 -
0.42 0.25 -0.92 -0.81 -0.79 -1.12 -0.01 -0.27 -0.1 0.04 -0.23 0.03 -0.94 -0.45 0.19 -0.32

430322 Human DEAD-box protein p72 (P72) mRNA, complete cds 1 341 0 -0.1 -0.69 -0.58 -0.56 -
0.79 -1.36 -1.25 -1.12 -0.17 -0.12 -0.06 -0.42 -0.4 -0.84 -1.25 -0.36 0.01 -0.12

509833 SID509833 INTERFERON-INDUCED 54 KD PROTEIN 1 340 0 -0.09 -0.76 -0.38 -0.51 -
0.89 -1.36 -1.32 -1.12 -0.76 -0.51 -0.09 -0.06 0.2 0.18 0.49 0.01 0.68 -0.09

488218 EST AA058747 1 339 0 -0.47 -0.76 -0.69 -0.34 -0.97 -1.22 -1.4 -1.32 -0.71 -0.76 -
0.49 -0.51 -0.4 -0.67 -0.69 -0.69 0.08 -0.58

364033 SID364033 EST AA021607 1 338 0 -0.3 -0.92 -0.54 -0.09 -0.54 -1.43 -1.18 -1.29 -
0.07 -0.18 -0.27 -0.92 -0.64 -0.71 0.61 -1.09 -0.23 -0.81

222387 SID222387 EST H86088 1 337 0 -0.49 -0.22 -0.97 -0.32 -1.03 -1.64 -1.56 -1.79 -0.07 -
0.43 -0.62 -0.32 -0.2 -0.54 -0.49 -0.89 -0.43 -0.76

281108 EST N47794 1 336 0 -0.67 -0.43 -0.51 0.06 -0.79 -1.18 -1.09 -1.03 -0.06 -0.06 -0.3

-0.51 -0.23 -0.03 -0.79 0.03 0.07 -0.36
 360743 EST AA016001 1 335 0 -1 -0.49 -0.64 -1.03 -0.86 -1.12 -1.22 -1.43 -0.2 -0.09 -
 0.03 0.06 -0.58 -0.42 -0.94 -0.4 0 0.23
 298306 SID298306 EST N73953 1 334 0 -0.54 -0.49 -0.36 -0.49 -0.81 -1.12 -0.62 -1.18 -0.43 -
 0.2 -0.01 -0.22 -0.36 -0.36 -0.89 -0.89 -0.01 -0.64
 43618 Human G protein-activated inwardly rectifying potassium channel HGIRK1/Kir3.1 mRNA, complete cds
 1 333 0 -0.54 -0.49 -0.67 -0.38 -0.42 -0.79 -0.79 -1.25 -0.2 -0.06 0.3 -0.2 -0.3 -0.84 -2
 0 -0.15 0.18
 362500 SID362500 EST AA018594 1 332 0 0.06 -0.25 -0.07 -0.36 -0.79 -0.56 -0.71 -0.71
 0.2 0.29 0.49 0.06 0.16 0.08 -0.81 -0.22 0.25 0.18
 346583 EST W74533 1 331 0 -0.3 -0.3 0.15 0.01 -1 -0.74 -0.86 -0.86 0.14 0 0.15 -
 0.06 0.18 -0.47 -0.69 -0.54 0.3 -0.45
 291087 SID291087 EST N72130 1 330 0 -0.15 -0.18 -0.2 0.19 -0.69 -0.56 -0.49 -0.6 0.11
 0.43 0.49 0.01 -0.03 -0.17 -1 -0.6 0.08 -0.25
 306285 EST N79013 1 329 0 0 -0.1 -0.22 -0.2 -0.62 -0.84 -0.42 -0.51 0.2 0.01 0.29 -
 0.06 0.12 -0.12 -1.12 -0.54 0.61 -0.01
 214215 H.sapiens mRNA for hcgVIII protein 1 328 0 0.32 0.14 0.03 -0.04 -0.89 -0.76 -0.27 -
 0.45 0.11 0.31 0.4 -0.07 0.28 -0.04 -0.92 -0.22 0.08 0.31
 142626 EST R70903 1 327 0 -0.1 -0.1 -0.1 -0.67 -1.25 -0.54 -0.47 -0.86 0.08 0.06 0.11
 -0.1 0.26 0.03 -0.32 -0.06 -0.03 -0.43
 33368 Human cyclin-dependent kinase inhibitor p27kip1 mRNA, complete cds 1 326 0 -0.74 -0.34 -
 0.79 -1.03 -1.47 -1.64 -1.84 -1.56 -0.67 -0.3 0.04 -0.81 -0.3 -0.67 -1.36 -0.64 -0.38 -0.64
 44098 SID44098 EST H06287 1 325 0 -0.58 -0.29 -0.29 -0.84 -1.22 -1.09 -1.36 -1.09 -0.23 -
 0.49 -0.43 -0.3 -0.03 -0.12 -1.15 -0.71 -0.32 -0.47
 32788 EST R43550 1 324 0 -0.79 -0.42 -0.47 -1.03 -0.97 -0.49 -1.6 -1.25 -0.36 -0.51 -0.17
 -0.54 -0.56 -0.3 -1.15 -0.64 -0.25 -1.06
 221527 SID221527 EST H92076 1 323 0 -0.43 -0.23 -0.12 -0.36 -1.47 -1.47 -1.84 -1.84 -0.18 -
 0.01 -0.14 -0.84 0.01 -0.15 -1.47 -1.36 -0.54 -0.76
 276937 HEAT SHOCK FACTOR PROTEIN 2 1 322 0 -0.15 -0.14 -0.07 -0.22 -0.69 -0.94 -1.22
 -1.4 -0.09 0.3 0.18 -0.62 0.16 0.03 -1 -0.34 0.21 0.31
 141483 EST R73580 1 321 0 -0.17 0.06 0.1 0.01 -0.56 -0.84 -1.25 -1.4 -0.34 -0.27 -0.04
 -0.64 0.04 -0.04 -0.27 0.77 0.28 0.01
 138998 Human hSIAH1 mRNA, complete cds 1 320 0 -0.2 0.3 0.19 -0.17 -0.54 -0.67 -0.79 -1.03
 -0.18 -0.04 0.32 -0.32 0.19 0.1 -0.03 0.89 0.43 0.04
 48320 SID48320 EST H14569 1 319 0 -0.42 -0.03 -0.14 -0.51 -1.22 -1.32 -1.32 -1.18 -0.42 -
 0.38 -0.36 -0.89 0.25 0.04 -0.58 -0.71 -0.1 -0.86
 252962 SID252962 EST H88517 1 318 0 -0.03 0.4 0.15 0.1 -0.81 -1.18 -0.97 -1.18 -0.29 -
 0.4 0.04 -0.62 0.18 0.03 -0.47 -0.01 0.96 0.29
 22328 EST T89077 1 317 0 -0.64 0.58 0.07 -0.06 -0.56 -0.6 -0.76 -0.34 -0.23 0.21 0.38
 -0.07 0.51 0.31 -0.45 -0.04 0.41 0.88
 49844 EST H29270 1 316 0 0.24 -0.79 -0.62 -0.25 -1.03 -1.69 -2.25 -2.56 -0.45 0.25 0.5
 0.19 -0.2 -0.45 -1.12 -0.56 -0.34 0.2
 31905 EST R43139 1 315 0 -0.1 -0.84 -0.47 -0.22 -0.67 -1.56 -2.32 -1.89 -0.51 0.41 0.58
 0.11 -0.03 -0.12 -0.47 -0.32 -0.32 -0.14
 291057 CDK6 inhibitor p18 1 314 0 0.11 -0.29 -0.14 0.23 -0.6 -1.03 -1.25 -0.97 -0.1 0.3
 0.69 0.14 -0.1 -0.4 -0.14 -0.07 -0.1 0.41
 231502 EST H92461 1 313 0 -0.4 0.1 0.01 -0.42 -0.74 -1.4 -1.69 -1.84 -0.2 0.06 0.45
 0.04 0.19 -0.12 -0.94 -0.67 0.34 0.23
 324578 DP2 (E2F dimerization partner 2) 1 312 0 0.01 -0.34 -0.12 -0.3 -0.89 -1.25 -1.43 -1.64
 -0.32 0.3 0.1 0.12 0.04 -0.27 0.28 -0.71 0.33 -0.62
 324824 Homo sapiens clone 24651 mRNA sequence 1 311 0 -0.2 -0.47 -0.29 -0.06 -0.84 -1.12 -
 0.86 -1.4 -0.06 -0.06 0.23 -0.1 -0.17 -0.15 -1.32 -0.27 0.49 -0.07
 291571 SID291571 Human mRNA for histamine N-methyltransferase, complete cds 1 310 0 0.19 -0.38
 -0.12 0.14 -0.71 -0.89 -0.6 -1 0.01 0.07 0.21 0.29 -0.32 -0.12 -0.84 -0.64 -0.25 -0.25

278171 EST N63536 1 309 0 -0.18 -0.29 -0.22 -0.27 -0.84 -1.36 -0.84 -1.03 -0.27 -0.04 0.32
0.12 -0.17 -0.29 -0.58 -0.6 0.29 0.07
51460 EST H20847 1 308 0 -0.01 -0.69 -0.58 -0.56 -0.71 -1.32 -1.84 -1.89 -0.17 -0.1 0.2
0.69 -0.3 -0.29 -0.79 -0.3 -0.51 0.39
485933 BINDING REGULATORY FACTOR 1 307 0 -0.38 -0.79 -0.67 -0.56 -0.79 -1.43 -1.64
-1.43 -0.86 -0.62 -0.47 0.11 -0.29 -0.76 -1.32 -0.79 -0.22 -0.64
297445 SID297445 Homo sapiens DNA recombination and repair protein hNgs1 (hNGS1) mRNA, complete cds 1
306 0 -1.09 -1.94 -1.36 -0.79 -2.56 -2.64 -2.84 -2.4 -0.76 -0.43 -0.15 -1.12 -1.25 -1.32 -0.51 -
1.84 -1.12 -0.69
25992 SID25992 EST R37278 1 305 0 -0.27 -1.15 -1.03 -0.38 -0.94 -1.32 -1.69 -1.43 -0.67 -
0.49 -0.18 -0.54 -0.36 -0.64 -1.74 -0.45 -0.29 -0.86
429572 EST AA011444 1 304 0 -0.1 -1 -0.51 -0.15 -0.86 -1.09 -1.18 -1.25 -0.4 -0.36 0.04
-0.38 -0.27 -0.36 -1.69 -0.69 0.03 -0.45
486739 H.sapiens mRNA for Ndr protein kinase 1 303 0 -0.56 -0.71 -0.38 -0.22 -0.69 -1.03 -1.25 -
0.89 -0.15 -0.18 -0.1 -0.01 0.04 -0.27 -0.58 -0.27 -0.07 -0.09
122585 SID122585 Homo sapiens mRNA for KIAA0602 protein, partial cds 1 302 0 -0.58 -0.89 -0.92 -
0.36 -0.97 -1.12 -1.32 -1.25 -0.25 -0.49 -0.36 -0.14 -0.43 -0.47 -1.06 -0.51 0.24 -0.17
365026 SID365026 Human transmembrane receptor (ror2) mRNA, complete cds 1 301 0 -0.79 -1.56
-0.97 -0.89 -1.29 -2.12 -2.06 -2.06 -0.81 -1 -0.76 -0.69 -0.81 -0.94 -1.51 -0.92 -0.27 -0.76
471665 EST AA035360 1 300 0 -0.15 -0.49 0.03 0.08 -0.38 -1.06 -1.09 -0.92 0.37 -0.2 -
0.09 -0.04 0.31 -0.01 -0.42 -0.29 0.23 -0.23
488749 Human mRNA for KIAA0092 gene, complete cds 1 299 0 0.71 0.03 0.62 0.25 0.18 -
0.49 -0.54 -0.69 0.59 0.31 0.82 1.02 0.48 0.36 -0.07 -0.1 0.45 0.77
509503 SID509503 Homo sapiens phospholipid scramblase mRNA, complete cds 1 298 0 0.07 -0.49
-0.32 -0.56 -0.51 -0.76 -0.92 -0.76 0.01 -0.01 -0.06 0.54 -0.14 -0.32 -0.58 -0.3 -0.27 0.12
127578 SID127578 Human DEAD-box protein p72 (P72) mRNA, complete cds 1 297 0 0.1 0.78 0.28
-0.38 -0.2 -0.14 -0.74 -0.09 0.11 -0.01 0.08 -0.3 0.59 -0.22 -1.36 -0.51 -0.38 0.37
47767 SID47767 EST H11911 1 296 0 -0.17 0 0.28 -0.38 0.28 -1.03 -1.18 -0.67 0.06 -
0.29 0.37 -0.07 0.26 0.29 -0.3 -0.07 -0.12 0.3
49594 EST H15273 1 295 0 -0.67 -0.17 -0.09 -0.81 -0.27 -0.92 -1.79 -1.12 -0.4 -0.74 -0.43
-0.58 0.33 -0.14 -0.1 -0.15 -0.22 -0.47
322692 EST W15407 1 294 0 0.23 -0.4 -0.17 0.04 -0.42 -0.4 -0.74 -0.86 -0.04 -0.25 0.3
-1.03 -0.01 -0.2 -0.51 0.23 0.4 0
287239 SID287239 EST N66980 1 293 0 0.32 0.12 0.07 0.4 -0.18 -0.45 -0.51 -0.67 0.07
0.39 0.66 -0.64 0.29 0.39 0.18 0.01 0.01 0.32
469850 SID469850 EST AA028136 1 292 0 -0.34 -0.86 -0.43 -0.06 -0.84 -0.81 -1.47 -0.94 -
0.43 -0.27 -0.2 -1.18 -0.27 -0.3 -0.34 0.38 -0.09 -0.92
39685 SID39685 EST R51896 1 291 0 0.2 0.5 -0.12 0.12 -0.43 -1 -1.06 -0.38 -0.17 -0.23
0 -1 0.16 0.1 -0.22 -0.86 -0.3 -0.89
297594 EST N68337 1 290 0 0.06 0.03 -0.01 0.12 -0.67 -1.18 -0.67 -0.38 -0.09 -0.06 -0.04
-1.03 0.21 -0.03 -0.38 0.39 0.36 -0.76
265750 SID265750 X-LINKED HELICASE II 1 289 0 0.12 0.12 -0.03 0.56 -0.42 -0.97 -0.86 -
1.51 -0.49 0 0.2 -1.06 0.2 0.15 -0.43 -0.38 0.16 -0.79
292678 SID292678 Human mRNA for KIAA0355 gene, complete cds 1 288 0 -0.23 -0.25 -0.56 0.14
-1.29 -1.36 -0.79 -1.36 -0.32 -0.29 -0.23 -0.86 -0.27 -0.09 -0.38 -0.51 0.31 -0.54
486541 Human clone 23693 mRNA sequence 1 287 0 -0.1 -0.38 -0.36 -0.49 -0.49 -0.6 -1.12 -0.69
-0.86 -0.17 0.29 -0.34 0.06 -0.15 -0.58 -0.67 0.14 -0.25
174681 EST H27880 1 286 0 -0.62 -0.04 0.15 -0.34 -0.69 -1.43 -1.29 -0.6 0 0 0.14
0.12 0.04 -0.25 -1.29 -0.36 -0.29 -0.42
26677 Hs.648 Cut (Drosophila)-like 1 (CCAAT displacement protein) 1 285 0 -0.79 -0.18 -0.38 -1.36
-1.29 -1.94 -1.74 -1.79 -0.51 -0.25 0.04 -0.71 -0.18 -0.64 -1.22 -0.97 -0.58 -0.86
360109 EST AA013256 1 284 0 0.01 -0.06 -0.06 0.25 -0.86 -2.18 -3.32 -2.47 -0.34 -0.04 0.1
-0.43 0.06 -0.1 0.25 0.68 -0.09 -0.07
274024 Homo sapiens antigen NY-CO-33 (NY-CO-33) mRNA, complete cds 1 283 0 0.06 -0.2 -0.23

-0.34 -1.51 -2.4 -2.32 -1.84 -0.45 -0.47 -0.34 -0.32 -0.06 -0.29 -1.29 -1.43 -0.71 -0.43
 285079 H.sapiens ERF-2 mRNA 1 282 0 0.15 0.03 0.07 -0.06 -0.92 -1.79 -1.4 -1.09 -0.18 -
 0.34 0.03 0.06 0.15 -0.09 -0.36 -0.42 -0.04 -0.03
 310138 Human forkhead protein FREAC-2 mRNA, partial cds 1 281 0 0.41 0.01 0.08 0.23 -0.51
 -1.64 -1.43 -1.43 -0.34 0.08 0.23 0.25 -0.04 -0.29 -0.62 -0.3 0.19 -0.43
 485770 ERF-2 1 280 0 -0.07 0.31 -0.07 0.23 -1.18 -1.74 -1.36 -0.97 -0.49 -0.42 -0.22 -0.49
 -0.22 0.15 -0.32 -0.54 -0.43 -0.27
 346099 SID346099 EST W73942 1 279 0 -0.01 0.03 0.07 0.19 -0.76 -1.56 -1.43 -1.12 -0.54 -
 0.81 -0.25 0.03 0.12 -0.22 -0.2 -0.4 -0.49 -0.3
 509966 EST AA052967 1 278 0 -0.06 0.49 0.2 -0.23 -1 -1.47 -0.79 -0.94 0.33 0.36 0.36
 1.04 -0.07 -0.6 -1.29 -0.71 -0.2 0.65
 344368 Homo sapiens mRNA for protein phosphatase 2C (beta) 1 277 0 0 0.33 -0.3 -0.15 -0.81
 -0.94 -0.97 -0.94 -0.15 -0.51 -0.25 0.41 -0.34 -0.12 -0.43 0.01 0.23 -0.07
 469387 SID469387 H.sapiens garp gene mRNA, complete CDS 1 276 0 -0.6 -0.58 0.04 -0.25 -
 1.03 -0.43 -1.15 -1.06 -0.34 -0.43 -0.76 -0.42 -0.45 -0.38 -0.97 -0.4 -0.27 -0.6
 469194 SID469194 Tropomodulin 1 275 0 -0.3 -0.74 -0.22 -0.58 -1.22 -0.64 -1 -1.06 -0.51 -
 0.42 -0.3 0.36 -0.56 -0.22 -1.32 -0.38 0.26 -0.23
 510006 SID510006 Interferon-inducible 56-KDa protein 1 274 0 0.06 -0.23 0.3 -0.06 -1.12 -0.69 -
 0.6 -1.09 0.11 -0.14 -0.14 0.51 -0.6 -0.15 -1 -0.43 0.03 0.32
 123567 SID123567 EST R00824 1 273 0 -0.36 0.42 0.51 -0.3 -0.51 -0.86 -1 -1.06 -0.22 -
 0.18 0.1 -0.34 0.29 0.06 -0.64 -0.32 0.26 -0.1
 45242 SID45242 EST H07905 1 272 0 -0.38 0.32 0.26 -0.32 -0.47 -0.74 -1.15 -1.47 -0.74 -
 0.6 -0.23 -0.54 0.29 -0.22 -0.64 -0.43 -0.29 -0.56
 364934 H.sapiens DAP-kinase mRNA 1 271 0 -1.69 -1.74 -0.97 -1.09 -1.94 -2.47 -2.25 -2.56 -
 1.4 -1.51 -1.43 -1.32 -0.92 -1.29 -1.94 -1.6 -0.56 -1.36
 428729 EST AA005212 1 270 0 -1.25 -1.74 -0.97 -0.6 -1.32 -1.84 -1.94 -2.06 -1.32 -1.36 -
 1.03 -1.06 -1.06 -0.97 -0.2 0.71 0.4 -0.69
 487502 EST AA045111 1 269 0 0.21 -0.47 -0.47 -0.27 0.01 -0.14 -0.62 -0.74 -0.79 -0.25 -
 0.32 -1.12 -0.12 -0.29 -0.92 -0.92 -0.25 -1.29
 29194 SID29194 POLYPOSIS LOCUS PROTEIN 1 1 268 0 -0.32 -0.94 -0.64 -0.58 0 -0.34 -
 1.09 -0.67 0 -0.36 -0.45 -0.86 -0.06 -0.32 -0.69 -0.51 -0.23 -1
 79319 SID79319 EST T63170 1 267 0 0.3 -0.42 -0.14 0.15 0.19 -0.07 -0.81 -0.2 -0.1 -0.23
 -0.12 -1 0.52 0.41 0.19 0.12 0.16 -0.79
 273078 SID273078 ESTs, Highly similar to HYPOTHETICAL 67.6 KD PROTEIN ZK637.3 IN CHROMOSOME
 III [Caenorhabditis elegans] 1 266 0 -0.6 -0.54 -0.2 -0.67 0.06 -0.43 -0.81 -0.51 -0.3 0.15 -
 0.07 -0.92 0 -0.18 0.16 -0.79 0 -1.03
 148440 EST H12318 1 265 0 -0.12 0.2 0.2 -0.29 0.26 -0.36 -1.12 -0.2 -0.27 0.2 0.11 -
 0.76 0.38 0.1 -0.23 -0.51 -0.01 0.08
 112179 SID112179 EST T91987 1 264 0 -0.01 0.3 -0.3 0.25 0.14 0 -0.51 0.28 -0.25 0.24
 0.36 -0.49 0.26 0.46 0.68 0.58 0.37 -0.49
 111725 Fibrillin 1 (Marfan syndrome) 1 263 0 -0.3 -0.86 -0.67 -0.47 -0.36 -0.76 -1.36 -0.45 -0.1
 -0.25 -0.29 -1.84 0 -0.17 -0.62 -0.64 -0.14 -1.64
 40483 EST R55334 1 262 0 -0.43 -0.06 -0.3 -0.58 -0.54 -0.09 -0.79 -0.69 -0.2 0.42 0.49
 -0.38 0.07 -0.4 -0.81 -0.51 -0.4 -0.97
 112035 EST T91871 1 261 0 -0.18 0.34 0.07 -0.09 -0.15 -0.2 -0.94 -0.58 0.16 0.63 1.14
 -0.23 0.16 0.15 -0.3 -0.2 0.03 0.37
 302400 SID302400 Epidermal growth factor receptor pathway substrate 15 1 260 0 -0.01 -0.03 0.28
 0.04 -0.14 -0.27 -0.62 -1.06 -0.4 0.79 0.34 -0.79 0.4 0.07 -0.58 -0.51 0.06 -0.18
 320355 EST W04525 1 259 0 -0.1 0.04 -0.06 0.11 -0.12 -0.43 -0.42 -0.67 1.06 0.01 -0.09
 -0.97 0.31 -0.14 -1 -0.45 0.52 -0.79
 40630 SID40630 Paired basic amino acid cleaving system 4 1 258 0 -0.14 -0.47 0.03 -1.69 0.15 -
 0.25 -0.69 -0.6 0.01 -0.49 -0.38 -0.01 -0.1 -0.2 -0.3 -0.14 -0.22 -0.01
 417717 EST W88695 1 257 0 0.06 0.04 -0.43 -1.18 -0.64 -0.01 -0.09 -0.71 0.29 -0.03 0.16
 0.7 -0.27 -0.89 -2 -0.67 -1.03 0.11

50704 ESTs, Highly similar to ZINC FINGER PROTEIN 91 [Homo sapiens] 1 256 0 -0.14 -0.25 -1.03
-0.92 -0.14 0.25 -0.32 -0.45 0.08 -0.36 -0.49 0.06 -0.03 -0.25 -0.25 -0.32 -0.3 0.15
344612 Homo sapiens clone 23767 and 23782 mRNA sequences 1 255 0 1.56 2.03 1.45 1.31 1.42
1.38 1.1 1.21 0.42 0.43 0.3 0.55 1.91 1.16 1.59 1.18 0.88 0.18
488383 Platelet-derived growth factor receptor, beta polypeptide 1 254 0 1.74 2.8 2.27 1.91 1.89
1.65 1.54 1.01 1.11 0.99 0.68 1.36 2.57 1.83 1.77 1.62 1.37 1.29
61419 SID61419 EST T40920 1 253 0 -0.74 0.38 0.83 0.19 0.25 -0.09 -0.2 -0.84 0.14 -
0.09 0.07 -0.67 0.07 0.51 -0.38 1.28 0.6 0.45
116819 SID116819 Homo sapiens clone 23887 mRNA sequence 1 252 0 -0.22 0.7 0.52 -0.45 -
0.22 0.08 -0.54 -0.92 -0.51 -0.58 -0.58 -0.97 0.62 0.01 -0.18 -0.45 -0.09 -0.86
137704 SID137704 EST R37986 1 251 0 -0.15 0.74 0.46 -0.49 0.29 -0.23 -1.25 -1 -0.43 -
0.18 -0.45 -1.18 0.86 0.24 0.07 1.08 0.46 -1
61539 SID61539 Cytochrome P450, subfamily IIC (mephenytoin 4-hydroxylase), polypeptide 9 1 250 0
-0.27 0.39 0.71 -0.6 0.31 -0.32 -1.47 -1.15 -0.97 -0.64 -0.71 -1.43 0.92 0.31 -0.03 -0.2 0 -
1.06
128329 SID128329 EST R12563 1 249 0 -0.49 -0.03 -0.1 -0.81 -0.54 -0.42 -1.36 -1.74 -1.29 -
1.56 -1.74 -1.84 -0.25 -0.47 -0.47 -0.71 -0.12 -2.25
214028 SID214028 Homo sapiens mRNA for stearyl-CoA desaturase 1 248 0 -1 0.7 0.85 -0.71
-0.06 -0.71 -1.18 -1.94 -0.92 -0.74 -0.81 -1.6 0.46 0 -0.27 -0.3 0.16 -1.74
416406 SID416406 ESTs, Highly similar to COMPLEMENT RECEPTOR TYPE 2 PRECURSOR [Homo sapiens] 1
247 0 -0.06 0.59 0.21 -0.1 -0.1 -0.25 -0.34 -0.89 -1.6 -2 -2.25 -1.84 0.66 -0.14 0.2 0.08
-0.3 -1.64
377346 SID377346 Complement component 1, s subcomponent 1 246 0 0.34 0.78 0.33 0.07 0.04
0.12 0.12 -0.09 -0.92 -0.94 -1.22 -1.06 0.79 0 0.12 -0.27 -0.62 -1.32
376416 SID376416 Complement component C1r 1 245 0 0.06 0.7 0.14 -0.09 -0.22 -0.23 -0.14
-0.23 -0.71 -0.84 -1.12 -0.74 0.04 -0.12 -0.06 -0.36 -0.42 -0.71
428443 SID428443 EST AA004918 1 244 0 0.2 0.7 0.37 -0.36 -0.01 0.12 -0.23 -0.67 -
0.81 -1.18 -1.29 -0.76 0.45 0.03 -0.01 -0.34 -0.47 -1.03
375479 SID375479 EST AA026761 1 243 0 0.06 0.93 0.51 0.06 0.11 -0.06 -0.29 -0.4 -
0.67 -0.76 -0.84 -0.27 0.7 0.23 0.33 0.18 -0.42 -0.47
486545 Lipoprotein lipase 1 242 0 0.53 0.86 0.52 0.24 0.21 0.39 0.36 -0.29 0.25 -0.76 -
0.81 -0.38 0.54 0.07 0.06 -0.14 -0.43 -0.54
366963 Caldesmon 1 241 0 0.38 0.83 0.43 0.1 0.32 0.45 0.58 -0.34 -0.97 -1 -1.22 -
1.12 0.99 0.12 0.34 0.51 -0.34 -0.89
366379 Ribonuclease, RNase A family, 1 (pancreatic) 1 240 0 -0.03 0.56 -0.12 -0.3 -0.47 -0.79 -
0.42 -0.25 -1.69 -0.97 -1.43 -1.74 0.23 0.77 0.14 -0.47 -0.12 -1.84
364730 SID364730 Homo sapiens P8 protein mRNA, complete cds 1 239 0 0.24 0.69 0.04 0.06 -
0.18 -0.03 -0.62 -0.45 -1.15 -0.97 -1.25 -1.29 0.44 0.15 0.36 -0.22 -0.36 -1.43
376146 Cytochrome B561 1 238 0 -0.15 -0.32 0.06 0.07 -0.36 -1.12 -1.79 -2.56 -2.4 -2.18 -
2.12 -2.94 0.14 -0.2 -0.15 -0.51 0.14 -2.64
469997 EST AA029995 1 237 0 -0.14 0.19 0.26 -0.04 0.14 -0.29 -0.76 -1.18 -0.62 -1 -1.25
-1.25 0.43 0.08 0.24 0.74 0.25 -1.09
366388 ESTs, Highly similar to PROBABLE PHOSPHOSERINE AMINOTRANSFERASE [Oryctolagus cuniculus]
1 236 0 0.16 0.2 -0.01 -0.3 -0.49 -0.81 -1.06 -1.84 -1.84 -1.74 -1.43 -1.36 -0.01 -0.2 -0.4
-0.81 -0.58 -1.47
510298 FARNESYL-DIPHOSPHATE FARNESYLTRANSFERASE 1 235 0 -0.03 0.23 -0.03 -0.42
-0.3 -0.38 -0.89 -1.43 -1.69 -1.94 -2 -1.25 -0.29 -0.42 -0.27 -0.34 -0.1 -1.47
346400 Cytochrome P450, 51 (lanosterol 14-alpha-demethylase) 1 234 0 0.04 0.01 -0.06 0.04 -0.07
-0.42 -0.69 -1.03 -1.25 -1.4 -1.29 -1.25 -0.1 0.16 0.11 -0.23 0.1 -1.09
489285 SID489285 Ribosomal protein L17 1 233 0 0.39 0.08 0.3 0.29 -0.25 -0.1 -0.32 -
0.79 -1.06 -0.89 -0.71 -1.22 -0.07 0.65 0.18 0.1 0.01 -0.92
376522 Human mRNA for dihydropyrimidinase related protein-3 complete cds 1 232 0 0.77 0.88
1.12 0.77 0.19 -0.23 -0.56 -0.76 -0.92 -1.12 -1.18 -0.51 0.72 1.07 1.1 1.28 1.27 1.4
487763 IPP isomerase 1 231 0 -0.17 -0.17 0.53 0.07 0.58 -0.4 -1.56 -2.12 -1.94 -2 -1.74 -

2.4 0.14 0.96 1.78 1.95 1.32 -1.89
487908 IPP isomerase 1 230 0 0.2 0.69 0.85 1.08 0.38 -0.27 -1.6 -2.32 -2.06 -2.06 -2.06 -
2.4 0.01 1.42 1.62 2.07 1.14 -1.84
487909 IPP isomerase 1 229 0 0.15 0.64 0.57 0.99 0.4 -0.29 -1.36 -1.89 -2 -2 -1.89 -
2.4 0.26 1.75 1.58 1.84 0.8 -1.43
376386 SID376386 EST AA039663 1 228 0 -0.09 0.06 0.57 0.73 0.31 -0.32 -0.94 -1.6 -
1.25 -1.18 -0.92 -0.89 0.31 0.9 1.5 1.7 1.28 -1
487407 Homo sapiens insulin induced protein 1 (INSIG1) gene, complete cds 1 227 0 -0.23 0.06 0.9
1.6 0.64 -0.51 -1.22 -2.94 -2.64 -2.94 -3.06 -2.64 -0.51 0.7 1.2 1.68 1.24 -1.69
46127 SID46127 EST H09359 1 226 0 -0.1 1.11 1.18 -0.15 0.06 -0.27 -0.58 -0.47 -1.18 -
1.09 -1.09 -0.69 1.33 0.72 0.39 0.1 -0.43 -0.76
361274 EST AA016305 1 225 0 0.3 1.37 1.66 0.45 0.58 0.53 0.46 -0.58 -0.51 -0.64 -0.76
-0.01 1.62 2.24 3.06 2.83 1.66 1.77
488947 SID488947 EST AA047080 1 224 0 0.34 1.28 0.59 0.06 -0.67 -0.45 0.23 -0.69 -
0.79 -0.86 -1.36 -0.64 0.71 0.25 0.26 0.51 0.32 0.26
377282 Cytochrome B561 1 223 0 0.19 0.96 0.51 0.01 0.06 -0.27 -0.42 -1.29 -2.12 -2.32 -
2.56 -2.18 0.83 -0.23 0.2 -0.12 -0.36 -2.84
429935 Apolipoprotein D 1 222 0 0.37 0.38 0.68 0.6 0.46 0.43 0.68 -0.29 -0.76 -1.09 -
1.43 -1.03 0.24 0.54 0.85 1.16 0.44 -0.58
487930 SID487930 Human clone 23748 mRNA, complete cds 1 221 0 0.06 -0.62 -0.12 0.21 -0.25 -
0.84 -0.29 1.18 0.85 0.19 -0.06 -0.04 0.04 -0.29 -0.49 -0.4 -0.29 0.36
363882 EST AA021170 1 220 0 -0.3 0.1 -1.64 -0.1 -0.01 -0.36 0.25 0.2 -0.29 -0.51 -2.56
-0.43 -0.97 -0.43 1.01 0.16 -0.07 -1.15
343061 SID343061 GRAVIN 1 219 0 0.42 0.01 -0.64 0.82 0.71 0.77 0.86 0.61 -0.07 -
0.25 -0.51 -1.09 -0.07 0.16 -0.15 0.95 -0.12 -0.18
238621 SID238621 EST H65122 1 218 0 -0.04 -0.6 0.03 1.05 1.08 0.69 0.72 -0.45 -0.62 -
0.86 -0.79 -0.32 -0.09 0.5 1.28 2.53 1.23 1.48
43644 SID43644 EST H04812 1 217 0 0.15 0.15 -0.67 0.29 -0.38 -0.71 -0.97 -0.92 0.62
1.29 1.67 1.55 -0.17 -0.32 0 -0.15 0.21 1.74
140677 SID140677 EST R67964 1 216 0 0.23 -0.1 -0.12 0 -0.6 -0.58 -0.94 -0.79 0.58 1.48
2.15 2.26 0 0.11 -0.56 0.28 0.73 2.13
365627 SID365627 EST AA009683 1 215 0 0.15 -0.38 -0.1 -0.23 -0.3 -0.84 -0.81 -0.47
0.49 0.65 1.14 0.77 -0.01 0.01 -0.86 -0.49 0.08 0.76
292326 SID292326 DNA primase polypeptide 2A (58kD) 1 214 0 0.03 -0.58 -0.84 -0.25 -1 -1.29
-1.12 -0.79 0.24 0.58 0.49 0.28 -0.15 0.04 -0.58 -0.06 0.1 0.53
365744 EST AA025540 1 213 0 0.1 -0.09 -0.47 -0.14 -0.69 -1.18 -0.86 -0.79 -0.23 0.2 0.45
0.54 -0.4 -0.09 -0.89 -0.76 -0.12 -0.04
307225 Lamin B receptor 1 212 0 -0.18 -0.27 -0.38 -0.2 -0.69 -1.18 -1.15 -1.12 0.06 -0.14
0.59 1.2 -0.09 -0.34 -1.06 -0.71 0.07 0.44
245209 SID245209 EST N54485 1 211 0 0.19 -0.64 -0.29 0.25 -0.56 -0.42 -0.56 -0.2 0.33
0.59 0.85 1.82 -0.1 -0.12 -0.84 -0.3 0.37 1.42
418097 SID418097 Centromere protein E (312kD) 1 210 0 0.18 -0.1 0.14 0.55 -0.67 -0.4 -0.38 -
0.62 0.93 1.38 1.59 2.29 0.06 0.14 0.79 0.25 0.24 1.71
327289 Human mRNA for KIAA0175 gene, complete cds 1 209 0 0.01 -0.2 0.12 0.12 -0.58 -1
-0.22 -0.58 0.57 1.12 1.36 1.66 0.16 -0.12 -0.51 0 0.4 1.37
484813 EST AA037511 1 208 0 -0.22 -0.09 0.03 0.04 -0.51 -0.79 -0.3 -0.76 0.41 0.57 0.46
1.2 -0.06 -0.79 -1.4 -0.45 -0.2 0.82
32790 SID32790 DNA repair protein MSH2 1 207 0 0.45 0.32 0.36 0.73 -0.62 -0.36 -0.56
0.76 1.3 1.86 2.33 1.54 0.51 0.25 -0.09 0.48 0.2 1.94
357161 SID357161 Homo sapiens mRNA for CRM1 protein, complete cds 1 206 0 0.37 0.32 -0.27
0.1 -0.74 -0.67 -0.2 0.19 0.7 1.18 1.27 0.64 0.1 0.29 -0.14 -0.23 -0.1 0.93
415068 Human mRNA for KIAA0039 gene, partial cds 1 205 0 0.52 -0.4 -0.07 0.06 -0.29 0.51
-0.71 0.3 0.67 1.38 1.38 0.93 0.32 0.58 0.3 -0.09 0.43 1.25
39144 SID39144 EST R51770 1 204 0 -0.06 -0.62 -0.14 0.01 -0.01 -0.25 -0.6 0.07 0.82

0.65 0.99 0.32 0.07 -0.01 -0.15 0.03 0.12 0.61
472185 EST AA057170 1 203 0 0.59 0.1 0.38 -0.74 -2.06 -2.47 -1.89 -0.71 0.23 0.1 -0.04
-0.03 0.64 0.95 1.04 1.19 1.14 0.54
487134 ADP-ribosylation factor 4-like 1 202 0 -0.1 -0.12 -0.58 -0.38 -1.74 -1.4 -1.89 -1.22 -
0.27 -0.27 -0.15 -0.17 -0.3 0 -0.17 0.08 0.5 0.14
471393 SID471393 EST AA034524 1 201 0 -0.4 0.19 -0.18 -0.29 -1.4 -1.6 -1.03 -0.89 0
0.29 0.36 0.2 -0.17 0.3 -0.38 -0.56 -0.2 -0.29
471429 SID471429 ESTs, Moderately similar to putative transcription factor CA150 [H.sapiens] 1 200 0 -
0.23 -0.38 -0.4 -0.67 -1.69 -1.25 -0.69 -0.45 0.15 -0.01 0.23 0.7 0.03 -0.17 -0.49 -0.43 0.46
1.17
302922 SID302922 Human mRNA for KIAA0159 gene, complete cds 1 199 0 0.5 0.43 0.5 0.16 -
0.32 -1.03 -1.32 -0.69 -0.2 0.61 1.3 0.86 0.52 0.41 -0.06 0.06 0.36 1.29
366671 Proliferating cell nuclear antigen 1 198 0 0.28 -0.22 -0.17 0.06 -0.62 -0.6 -0.51 0.26
1.34 1.56 1.31 1.81 -0.22 0.14 -0.22 -0.15 0.66 1.4
344109 Proliferating cell nuclear antigen 1 197 0 0.28 -0.32 -0.06 0.14 -0.43 -0.81 -0.47 0.11
1.47 1.74 0.5 1.84 0.08 -0.09 -0.43 0 0.86 1.4
245840 SID245840 Homo sapiens geminin mRNA, complete cds 1 196 0 0.2 -1 -0.56 -0.34 -
0.64 -0.49 -0.67 0.54 0.78 1.48 1.24 1.85 -0.03 -0.27 -0.42 -0.15 0.15 1.13
346952 EST W79392 1 195 0 -0.12 -0.36 -0.47 -0.81 -1.32 -1.36 -0.42 0.61 1.25 1.57 1.79
0.63 -0.14 -0.43 -1.18 -0.79 -0.29 0.65
346135 DNA topoisomerase II alpha 1 194 0 0.62 0.65 0.15 0.19 -0.49 0.11 -0.01 0.25 1.22
2.28 2.88 2.11 0.7 0.96 0.62 0.54 0.45 2.56
248032 DNA topoisomerase II alpha subunit 1 193 0 0.41 0.72 0.28 0.48 -0.6 -0.36 -0.2 -
0.22 1.29 2.26 3.14 2.6 0.8 0.49 0.12 0.33 0.46 2.95
71902 EST T52152 1 192 0 0.28 0.67 0.53 0.08 -0.27 -0.04 -0.49 -0.45 0.99 1.56 2.7
2.47 0.99 0.33 0.14 0.29 0.26 2.5
28051 EST R40626 1 191 0 0.38 1.14 0.86 0.42 -0.06 -0.04 -0.69 -0.25 1.4 2.17 3.01
2.99 1.08 0.72 0.52 0.65 0.42 3.06
129140 Mitotic feedback control protein Madp2 homolog 1 190 0 0.15 0.24 0.1 0 -0.38 -0.32 -
0.62 -0.12 1.63 2.52 3.14 2.98 0.08 -0.03 -0.97 0.03 0.28 2.7
212374 SID212374 EST H68298 1 189 0 0.31 0.54 0.48 0.29 -0.14 0.29 -0.09 0.06 1.35
2.08 2.8 2.67 0.64 0.44 0.46 0.23 0.6 2.9
428502 ESTs, Highly similar to UBIQUITIN-CONJUGATING ENZYME E2-17 KD [Drosophila melanogaster]
1 188 0 -0.15 -0.56 -0.23 0.31 -0.64 -0.81 -0.42 0.08 1.23 1.55 1.78 1.96 -0.23 -0.27 -
1.51 -0.51 0.32 1.53
72199 CENP-F kinetochore protein 1 187 0 0.11 -0.3 0.1 0.01 -0.38 -0.38 0.11 0.25 0.45
1.47 2.17 2.02 0.2 0.24 0.55 0.98 0.23 2.08
307333 RIBONUCLEOSIDE-DIPHOSPHATE REDUCTASE M1 CHAIN 1 186 0 0.08 -0.01 0.07
0.33 0.07 0 0.01 0.5 1.65 2.08 2.39 2.51 0.24 0.04 -0.58 0.34 0.56 2.06
427857 Cyclin A 1 185 0 0.5 0.55 -0.04 0.7 -0.04 -0.03 -0.12 0.63 1.58 2.14 2.55
2.24 0.19 0.41 -0.23 -0.32 -0.04 1.97
32811 Cyclin A 1 184 0 0.38 0.55 0.3 -0.27 -0.01 -0.06 -0.1 0.44 1.7 2.36 3.28 2.14
0.45 0.32 -0.15 0.06 0.38 2.41
49950 SID49950 FLAP ENDONUCLEASE-1 1 183 0 -0.29 0.01 -0.03 -0.2 -0.1 -0.06 0.11
0.74 1.77 2.51 2.73 2.12 0.24 -0.12 -0.71 -0.25 0.25 2.06
416715 alpha importin 1 182 0 0.08 -0.38 -0.09 -0.34 -0.42 -0.6 -0.86 -1.18 0.56 1.02 2.11
1.83 0.03 -0.09 -0.29 0.32 0.06 1.81
485664 Human mRNA for KIAA0069 gene, partial cds 1 181 0 -0.25 -0.54 -0.1 0.12 -0.15 -0.15
0.01 -0.45 0.37 1.13 1.93 1.82 0 -0.12 -0.1 0.58 0.57 1.66
510231 SID510231 Ribonucleotide reductase M2 polypeptide 1 180 0 0.43 -0.01 0.01 0.36 0.58
0.42 -0.22 0.34 1.69 2.16 2.62 2.96 0.12 -0.01 -0.23 0.36 0.38 2.66
346534 Cell division cycle 2, G1 to S and G2 to M 1 179 0 0.51 0.67 0.23 0.43 0.78 0.33 0.04
0.03 1.07 2.17 2.9 2.4 0.58 0.36 0.79 0.56 0.24 2.56
243159 Human occludin mRNA, complete cds 1 178 0 0.08 -0.07 0.03 0.01 -0.29 -0.25 -0.23

-0.49 0.7 1.17 2.11 1.7 -0.04 0.03 -0.34 -0.09 0.77 1.9
 359119 CDC28 protein kinase 2 1 177 0 0.45 0.03 0.5 0.2 0.2 0.1 0.08 -0.2 0.94 1.63
 2.21 2.3 0.21 0.4 0.82 0.81 0.65 2.25
 302490 Cyclin B1 1 176 0 0.26 0.26 0.32 0.12 -0.25 0.3 0.37 0.25 0.72 1.23 2.37
 3.34 0.26 0.3 0.11 0.58 0.19 2.89
 23605 UDP-GLUCURONOSYLTRANSFERASE 2B7 PRECURSOR MICROSOMAL 1 175 0 0.19
 1.06 0.93 0.16 0.34 0.43 -0.14 -0.2 0.72 1.35 2.21 2.81 0.75 0.52 0.48 0.26 0.11 2.64
 428248 Activating transcription factor 3 (ATF3) 1 174 0 0.15 1.82 1.79 2.2 0.77 -0.36 -0.86
 -0.89 -0.2 0 -0.23 -0.45 1.75 2.98 3 3.92 3.12 2.08
 376394 SID376394 Protein phosphatase 4 (formerly X), catalytic subunit 1 173 0 1.37 1.61 1.89
 1.88 1.28 0.21 -0.2 -0.69 -0.23 0.11 0.07 0.75 1.31 2.07 2.32 2.46 2.79 2.04
 381836 SID381836 EST 1 172 0 1.27 2.28 2.46 0.01 -0.54 -1.03 -0.94 -1.12 -0.29 -0.38 -
 0.15 0.03 2.48 3.5 3.91 4.02 2.85 2.25
 120386 SID120386 EST T95837 1 171 0 -0.45 1.62 1.83 0.03 0.33 0.25 -0.07 0.23 -0.4 -0.1
 -0.36 -0.32 1.37 0.93 0.46 0.79 -0.17 -0.18
 26474 P55-C-FOS PROTO-ONCOGENE PROTEIN 1 170 0 1.42 3.03 3.67 0.58 0.66 0.78
 0.3 -0.38 0.19 -0.01 -0.17 0.11 3.28 4.05 4.43 4.58 4.18 3.32
 162772 Early growth response protein 1 1 169 0 0.56 2.05 2.43 0 1.36 0.06 -0.58 -0.04 -0.76
 0.16 0.21 0.07 1.59 2.19 2.36 2.8 2.93 1.96
 254436 SID254436 IMMEDIATE-EARLY RESPONSE PROTEIN NOT 1 168 0 0.01 2.24 3.41 1.58
 1.86 0.69 0.08 -0.22 0.74 0.61 -0.32 -0.23 2.21 2.7 3.22 3.53 -0.43 -0.6
 80971 Macrophage inflammatory protein-2-alpha precursor (MIP-2 alpha) 1 167 0 0.58 0.59 1.31 0.75
 2.58 1.22 1.08 0.93 0.38 -0.04 -0.09 -0.01 0.91 1.24 2.24 3.35 1.96 1.7
 27899 Human Gem GTPase (gem) mRNA, complete cds 1 166 0 -0.76 0.01 1.15 0.77 1.74 0.72
 -0.36 -1.18 -0.15 -0.58 -0.45 -0.51 -0.03 0.54 1.2 2.64 1.6 0.91
 129778 SID129778 Transferrin receptor (p90, CD71) 1 165 0 -0.54 -0.38 -0.1 1.29 1.95 1.63
 1.07 -0.86 -0.56 -0.64 -0.3 -0.42 -0.45 -0.89 -1.74 -1.25 -1.43 -1.51
 487872 EST AA688119 1 164 0 0.07 -0.67 0.94 0.4 1.81 1.64 1.1 -0.01 0.18 0.18 -0.07
 0.1 0.19 0.66 1.33 2.06 0.03 0.56
 70167 EST T50056 1 163 0 -0.42 -0.92 0.45 1.45 1.49 0.73 0.97 0.24 0.04 -0.14 -0.23
 0.16 0.3 0.53 1.32 3.02 0.73 0.99
 344804 Protein-tyrosine-phosphatase (tissue type: foreskin) 1 162 0 0.37 0.07 -0.45 -0.47 2.49
 1.81 0.96 -0.09 0.41 0.76 0.91 0.1 0.53 0.51 0.28 0.58 1.65 2.71
 510136 PUTATIVE DNA BINDING PROTEIN A20 1 161 0 -0.07 -0.14 0.01 0.1 2.8 1.34
 0.56 0.55 0.48 0.18 0.33 -0.3 0.04 1.53 3.28 4.2 2.45 3.17
 23464 HUMAN IMMUNODEFICIENCY VIRUS TYPE I ENHANCER-BINDING PROTEIN 2 1 160 0 -
 0.54 -0.27 -1.06 0.43 1.66 1.7 1.52 0.64 0.21 0.2 -0.12 0.23 0.37 0.15 1.49 3.09 0.85 0.99
 364959 SID364959 Hexosaminidase B (beta polypeptide) 1 159 0 0.07 0.5 -0.09 0.01 1.57 1.71
 1.54 0.86 -0.09 -0.49 -0.64 0.71 0.49 0.15 0.43 1.16 0.95 1.4
 108837 Small inducible cytokine A2 (monocyte chemotactic protein 1, homologous to mouse Sig-je) 1 158
 0 0.25 0.82 0.78 0.61 2.26 2.61 1.77 1.17 0.66 -0.18 -0.29 1.14 0.55 0.45 0.59 2.11 1.66
 2.33
 428844 SID428844 Human mRNA for KIAA0157 gene, partial cds 1 157 0 -0.07 0.56 0.93 0.28
 1.37 2.85 2.21 0.84 0.37 0.29 -0.23 0.68 0.51 0.5 1.28 1.82 0.03 1.12
 324655 Interleukin 1, beta 1 156 0 0.23 0.56 0.39 0.23 1.64 3.16 2.89 0.28 -0.04 -0.36 -
 0.45 -0.29 -0.04 0.49 0.81 0.99 0.77 1.37
 328692 Interleukin 8 1 155 0 1.42 1.27 1.91 2.63 5.28 6.44 4.68 3.89 2.75 1.44 1.28
 0.53 1.52 2.59 4.26 5.76 3.94 4.86
 132420 ETS-2 1 154 0 -0.27 0.74 1.43 0.63 2.34 1.63 1.24 0.78 0.68 0.5 0.82 1.04
 0.69 1.29 1.96 3.36 2.01 2.37
 235936 ETS-2 1 153 0 0.1 0.55 0.71 0.59 2.37 1.59 1.12 0.63 -0.29 -0.17 -0.23 0.04
 0.93 0.88 2.1 2.56 0.45 1.72
 308793 EST W25116 1 152 0 0.25 -0.29 0.49 1.22 1.77 1.41 1.16 0.46 -0.06 0.16 0.2
 1.06 0.2 0.72 1.63 2.73 0.83 1.55

346510 SID346510 Homo sapiens hCPE-R mRNA for CPE-receptor, complete cds 1 151 0 -0.49 -0.2
-0.34 0.77 2.12 1.63 1.49 0.25 0.15 0.15 0.21 0.28 -0.29 0.21 0.08 0.12 -0.03 -0.2

510550 EST AA053251 1 150 0 -0.71 0.32 0.18 1.63 2.04 2.51 2.59 1.43 0.68 0.58 0.19
0.24 -0.58 0.18 1.57 2.55 0.39 -0.17

510165 EST AA053251 1 149 0 -0.15 -0.45 0.43 0.72 2.99 2.51 2.2 0.94 0.67 0.18 0.04
0.1 -0.04 0.26 1.06 2.44 0.18 0.14

488697 Vascular endothelial growth factor 1 148 0 -0.3 -1 0.37 1.03 2.18 1.76 1.81 0.46 -
0.2 -0.54 -0.49 -0.03 -0.23 -0.22 -0.3 0.92 -0.06 0.15

47424 SID47424 EST H11257 1 147 0 0.15 -0.18 0.84 0.56 0.9 1.58 2.01 1.21 0.01 -0.56
-0.51 0.73 0.62 1.32 2.19 2.66 1.37 1.41

485171 S-ADENOSYLMETHIONINE SYNTHETASE GAMMA FORM 1 146 0 0.08 0.64 0.07
0.63 1.12 1.51 1.58 0.82 0.36 -0.15 -0.74 0.18 0.41 0.15 0.32 0.18 -0.51 -0.22

162077 SID162077 EST H26271 1 145 0 -0.3 -0.09 0.1 -0.29 2.17 1.85 1.39 0.98 0.12 0.76
0.75 0.32 0.2 0.77 1.32 1.69 0.73 1.58

52519 SID52519 EST H24396 1 144 0 -0.25 -0.12 -0.06 -0.17 1.78 1.7 1.29 0.59 0.67 0.53
0.81 0.12 -0.18 -0.03 -0.32 0.31 0 0.82

489036 Thrombomodulin 1 143 0 -0.49 -0.15 0.08 -0.25 2.29 2.73 2.42 0.12 -0.07 0.63 1.14
0.51 -0.25 0.1 0.65 0 0.2 0.42

251469 Bone morphogenetic protein receptor, type II (serine/threonine kinase) 1 142 0 -0.38 -0.36 -0.34
-0.36 1.44 1.02 0.94 0.79 -0.22 -0.14 -0.51 0.01 0.12 -0.03 0.29 0.36 -0.3 -0.32

70288 EST T48819 1 141 0 -0.74 0.11 -0.43 -0.4 1.16 1.51 1.64 0.5 -0.56 0.33 -0.23
0.08 -0.14 -0.23 0.53 0.55 -0.54 -0.04

153589 Stanniocalcin precursor 1 140 0 -0.81 -0.49 -0.03 0 1.66 2.76 2.84 1.25 -0.3 -0.09 -
0.2 0.41 -0.27 -0.49 1.26 1.53 -0.45 1.02

429349 Human RGP4 mRNA, complete cds 1 139 0 0.15 -0.56 -0.04 0.03 1.74 2.86 3.03 1.65
0.97 1.19 0.66 0 0.08 0.6 0.65 1.08 0.06 2.23

145409 Fc fragment of IgG, low affinity IIa, receptor for (CD32) 1 138 0 0.25 0.34 0.3 -0.01 1.13
1.05 1.46 1.76 0.65 0.55 0.37 -0.6 -0.49 0.11 1.22 1.23 -0.45 -0.67

324457 EST W51763 1 137 0 0.14 0.44 0.61 -0.38 1.31 1.21 1.08 1.19 0.53 0.1 0.14
0.03 1.11 0.72 0.84 0.7 0.07 0.61

86017 Intercellular adhesion molecule 1 (CD54), (ICAM1) 1 136 0 -0.45 0.86 0.5 0.14 1.59
1.52 1.3 1.14 0.14 0.08 -0.07 -0.12 0.44 0.57 1.07 2.12 1.5 1.28

151478 EST H02832 1 135 0 -0.54 -0.2 0.24 -0.6 1.03 0.96 1.2 0.57 -0.15 0.36 0.42
0.16 -0.12 0.07 0.39 -0.01 0.92 0.61

42464 Protein-tyrosine-phosphatase (tissue type: foreskin) 1 134 0 0.16 0.45 0.41 -0.1 1.83 1.65
1.18 1.19 0.64 1.23 1.1 0.55 0.58 0.71 0.54 0.91 1.66 2.14

325808 ESTs Highly similar to GRPE PROTEIN HOMOLOG PRECURSOR [Drosophila melanogaster] 1
133 0 0.07 0.29 0.26 -0.3 1.2 1.37 1.38 0.94 0.86 0.59 0.88 0.7 0.38 0.39 0.12 -0.07
-0.04 0.65

301487 SID301487 Homo sapiens mRNA for DEC1, complete cds 1 132 0 -0.03 0.32 0.26 -0.36
1.36 1.5 1.84 1.79 0.91 0.77 0.41 0.43 0.25 0.28 1.07 1.1 0.23 0.57

365515 Fibroblast growth factor 7 (keratinocyte growth factor) 1 131 0 0.12 0.18 0.58 0.68 1.71 2.1
2 1.3 1.24 0.99 0.82 0.58 0.28 0.43 0.04 0.26 0.37 1.38

325559 Fibroblast growth factor 2 (basic) 1 130 0 0.33 0.38 0.58 0.18 2.17 1.98 1.5 0.63
0.86 0.63 0.56 -0.12 0.8 0.4 0.72 1.2 0.4 0.16

323776 Fibroblast growth factor 2 (basic) 1 129 0 0.26 0.32 0.15 0.71 2.11 2.18 1.54 1.09 1
0.76 0.71 -0.12 0.46 0.28 0.46 1.21 0.36 0.52

150692 SID150692 EST H02191 1 128 0 -0.74 1.2 1.12 -0.49 0.41 -0.04 0.57 1.02 0.06
0.62 0.58 -0.97 0.87 0.83 0.45 0.37 -0.01 -0.38

60664 SID60664 EST T40595 1 127 0 -0.29 0.07 0.82 -0.29 0.71 0.26 -0.42 0.21 0.31 0.91
0.99 -0.15 0.86 0.29 0.75 0.81 0.12 0.19

110503 FOS-RELATED ANTIGEN 1 1 126 0 -0.51 0.98 1.75 1.15 1.54 1.1 0.82 1.1 0.66
1.48 1.86 0.81 1.05 1.53 2.18 2.39 1.99 2.26

114116 Paired basic amino acid cleaving enzyme (furin, membrane associated receptor protein) 1 125 0 -

0.4	1.08	1.01	0.38	0.94	0.81	0.97	1.45	1.32	1.5	1.65	-0.45	0.59	0.64	0.78	1.16	0.42	0.23				
510228	Antigen identified by monoclonal antibody Ki-67																				
0.93	0.73	0.7	1.29	2.01	2.26	1.29	0.58	0.84	0.41	-0.18	2.27	124	0	0.23	0.29	-0.45	-0.23	0.15	0.51		
512247	SID512247 Enolase 1, (alpha)																				
0.96	1.43	1.5	-0.27	-0.45	-0.56	-0.42	0.44	1.01	1	123	0	-0.22	-0.54	-0.69	0.03	-0.04	0.15	0.18	0.31	0.85	
489127	SID489127 Stromal cell-derived factor 1																				
1.6	1.78	2.18	2.62	1.44	0.04	-0.18	0.2	0.11	-0.07	1.39	1	122	0	0.1	-0.62	-0.04	0.24	0.45	0.48	0.94	
51894	SID51894 GTP binding nuclear protein RAN																				
0.58	0.86	1.41	1.94	0.83	0.04	-0.1	-0.29	-0.14	0.18	0.99	1	121	0	0.1	0	0.15	-0.1	0.36	0.6	0.54	
254428	SID254428 Integrin, alpha 6																				
1.96	2.55	1.52	-0.04	-0.43	-1.64	-0.45	0.39	1.18	1	120	0	-0.49	-0.23	-0.17	0.2	-0.04	0.1	0.81	0.76	1.34	
489175	SID489175 Acid phosphatase 1, soluble																				
2.02	2.15	2.23	1.42	0.2	0.66	0.1	0.18	0.29	1.46	1	119	0	0.21	0.58	0.49	0.5	0.49	0.9	1.18	1.71	
470621	Cyclin-dependent kinase 7 (homolog of Xenopus MO15 cdk-activating kinase)																				
0.12	0	0.48	0.58	0.16	0.64	0.98	1.7	1.42	1.67	0.57	0.3	0.15	0.28	0.91	0.99	1.09	1	118	0	0.31	-
470455	SID470455 ESTs, Highly similar to HYPOTHETICAL 52.9 KD PROTEIN IN SAP155-YMR31 INTERGENIC REGION [Saccharomyces cerevisiae]																				
0.96	1.72	1.56	1.7	1	0	-0.23	-0.09	0.06	1.23	1.3	1	117	0	-0.01	-0.49	-0.38	-0.03	0.33	0.03	0.4	
469990	SID469990 Adenine nucleotide translocator 2 (fibroblast)																				
0.14	0.16	0.63	0.48	1.05	1.16	1.44	1.68	-0.2	-0.25	-0.49	-0.32	0.5	1.16	1	116	0	0.15	-0.47	-0.22	0.11	
306539	SID306539 RAN binding protein 1																				
0.77	1.24	1.36	1.29	1.59	0.03	0.07	0.32	-0.15	0.18	1.03	1	115	0	-0.07	-0.32	-0.07	-0.18	0.14	0.31	0.75	
509631	SID509631 FK506-binding protein 1 (12kD)																				
0.77	0.77	1.03	1.06	1.36	0.7	-0.27	-0.36	-0.47	-0.45	0.42	0.21	1	114	0	-0.04	-0.6	-0.49	0.11	0.1	0.32	
509602	Homo sapiens mRNA for nucleolar protein hNop56																				
0.96	1.56	1.42	1.37	1.42	1.61	-0.29	-0.38	-0.79	-0.43	0.63	1.08	1	113	0	-0.2	-0.84	-0.51	0.46	0.63	0.83	
294134	SID294134 Homo sapiens brain expressed ring finger protein mRNA, complete cds																				
-0.54	0.14	0.4	0.11	0.38	0.97	1.24	1.08	1.44	1.53	1.5	-0.07	0.32	1.32	2.13	1.33	2.05	1	112	0	-0.1	
509962	HEAT SHOCK COGNATE 71 KD PROTEIN																				
0.39	0.63	1.33	1.09	1.06	1.28	-0.14	-0.36	-0.58	-0.29	-0.07	-0.06	1	111	0	-0.14	-0.6	-0.36	-0.27	0.31	0.86	
510332	SID510332 Human cytoskeleton associated protein (CG22) mRNA, complete cds																				
1.55	1.46	0.15	0.39	1.12	1.43	1.75	0.9	1.84	2	3.07	0.65	1.58	1.06	0.24	0.49	2.49	1	110	0	0.19	
487172	N-ACETYLLACTOSAMINE SYNTHASE																				
1.2	0.58	0.77	0.58	-0.54	-0.25	-0.58	-0.01	1.16	0.04	-0.06	1	109	0	-1.64	-0.56	-0.38	0.46	1.06	0.84	1.26	
73878	SID73878 EST T54874																				
0.04	0.68	-0.09	-0.2	-0.32	0.55	-0.04	-0.06	-0.3	-0.86	-0.45	0.23	0.77	0.78	1.32	1.26	0.12	0.51	1	108	0	
53069	Human G2 protein mRNA, partial cds																				
1.88	1.44	1.26	1.18	1.13	0.18	-0.29	0.18	0.53	-0.25	-0.32	1	107	0	-0.14	-0.64	-0.3	-0.27	0.24	1.08	1.74	
324122	Endothelial Cell-specific Molecule ESM-1																				
2.47	2.13	1.28	1.99	1.7	1.25	-0.07	-0.06	0.87	-0.1	0	1.29	1	106	0	-1.18	-0.42	-0.32	-0.47	0.59	1.71	
509525	SID509525 DESMOPLAKIN I AND II																				
1.28	0.93	1.22	0.72	0.08	-0.43	-0.6	-0.64	0.45	-0.07	-0.34	1	105	0	-1.18	-1.03	-0.71	-0.03	0.07	0.48	1.12	
278993	ESTs, Highly similar to OPIOID BINDING PROTEIN/CELL ADHESION MOLECULE PRECURSOR [Bos taurus]																				
0.87	-0.36	-0.2	0.48	1	104	0	0.25	-0.12	-0.56	0.2	-0.04	0.96	1.49	1.58	1.23	1.17	1.05	0.39	0	0.29	
321203	EST AA037351																				
0.67	-0.29	-0.32	-0.12	-0.25	0.14	0.42	-0.43	-0.69	-0.22	0.16	0.11	0.72	1.58	1.58	1.18	1.14	0.85	1	103	0	
279847	EST N40987																				
0.51	0.31	0.3	-0.17	-0.38	-0.38	-0.62	-0.34	0.03	0.12	-0.6	-0.18	0.39	1.38	2.07	1.2	0.82	0.48	-	1	102	0
377004	SID377004 EST AA057780																				
0.17	-0.34	-0.36	-1.12	-0.79	-1.15	-1.03	-1.29	-1.36	-1.25	-1.18	-0.94	-0.92	-1.56	-0.69	-0.79	-0.51	0.11	-	1	101	0
363599	SID363599 EST AA020014																				
0.93	0.87	0.77	0.37	0.44	-0.17	0.08	0.41	-0.34	0.74	-0.18	0.07	0.12	-0.47	0.1	-0.18	-0.01	0.62	1	100	0	
201350	SID201350 EST R99596																				

1.26 0.53 0.04 -0.12 -0.45 -0.34 0.26 0.34

23933 Eukaryotic translation initiation factor 4A (eIF-4A) isoform 1 1 98 0 0 0.96 0.7 0.11 0.69
0.78 0.64 0.7 0.92 0.96 1.23 1.29 0.46 0.19 0.03 0.42 0.42 1.16

470101 SID470101 Oxytocin receptor 1 97 0 -0.43 0.14 -1.22 -0.38 -0.23 -0.42 0.08 0.97 0.71
0.62 0.45 0.4 -0.45 0.23 -0.42 -0.47 0.31 0.68

296240 SID296240 ESTs, Highly similar to HYPOTHETICAL 14.6 KD PROTEIN IN REC104-SOL3
INTERGENIC REGION [*Saccharomyces cerevisiae*] 1 96 0 0.3 0.03 0.39 0.4 0.69 0.66 0.44
0.57 0.72 1.22 1.63 0.19 0.37 0.36 0.65 1.01 0.57 0.65

509983 SID509983 Human nucleolar protein p40 mRNA, complete cds 1 95 0 -0.03 -0.92 -0.4 -
0.03 0.91 0.45 0.3 0.34 1.12 1.55 1.14 0.42 -0.2 0.23 0.3 -0.56 0.25 0.15

145292 SID145292 Collagen, type IV, alpha 1 1 94 0 -0.15 -0.81 -0.56 -0.25 0.57 0.72 0.96
1.37 1.16 0.9 0.6 -0.64 -0.36 -0.34 -0.1 0.51 -0.29 -0.76

150043 EST H01822 1 93 0 0.07 -0.22 -0.62 -0.01 1.62 2.09 2.91 2.3 1.91 1.59 1.31
0.39 -0.14 -0.49 0.64 1.14 -0.3 0.4

486753 EST AA044617 1 92 0 -0.71 -1.06 -0.62 -0.58 0.37 0.38 1.24 1.06 0.19 0.59 0.8
-0.54 -0.84 -0.6 -0.43 -0.6 -0.4 -0.22

259642 SID259642 GTP cyclohydrolase 1 (dopa-responsive dystonia) {alternative products} 1 91 0
0.16 0.4 0.15 -0.42 1.01 1.71 1.98 1.95 1.58 1.46 1.26 -1.03 0.37 -0.17 0.07 -0.1 -0.69 -
1.29

487021 Tissue inhibitor of metalloproteinase 3 (Sorsby fundus dystrophy, pseudoinflammatory) 1 90 0
0.03 0.07 0.03 0.16 1.14 1.77 1.93 1.82 1.53 1.72 1.75 -0.64 0.19 -0.17 -0.14 -0.03 -0.42 -
0.58

469303 Human Gu protein mRNA, partial cds 1 89 0 -0.51 0.01 0.19 0.33 1.14 1.52 1.58
1.21 0.77 0.6 0.32 1.06 -0.22 0.18 -0.23 0.28 0.56 0.9

214107 AMINOPEPTIDASE N 1 88 0 -0.3 0.18 0.24 0.15 1.16 1.16 1.24 1.23 0.96 0.7
0.73 0.79 0.25 -0.23 0.26 -0.07 -0.36 0.51

346664 EST W74639 1 87 0 -0.27 0.07 -0.01 0.06 0.71 0.94 0.81 0.99 0.75 0.39 0.4
0.4 0.01 0.15 0.55 0.31 0.04 1.16

243599 PEPTIDYL-PROLYL CIS-TRANS ISOMERASE, MITOCHONDRIAL PRECURSOR 1 86 0 -
0.17 -0.3 -0.2 0.56 0.97 1.06 1.29 1.29 0.83 0.68 0.62 0.74 -0.06 0.31 0.49 0.97 0.96 1.36

323644 CTP synthetase 1 85 0 -0.15 -0.18 -0.09 0.67 1.28 1.49 1.59 1.3 1.14 1.13 0.63
0.72 -0.23 0.01 0.61 2.04 -0.2 0.65

488118 EST AA054706 1 84 0 -0.58 -0.15 -0.01 -0.01 1.26 1.44 1.96 1.66 0.79 0.67 0.31
0.77 0.11 -0.29 -0.49 -0.43 -0.45 0.18

280768 TUMOR-ASSOCIATED ANTIGEN L6 1 83 0 -0.15 0.11 0.36 1.37 2.33 2.65 3.2
3.09 1.45 1.3 1.53 1.75 0.62 1.86 2.21 3.32 0.15 1.43

487887 Homo sapiens lysosomal neuraminidase precursor mRNA complete cds 1 82 0 0.18 0.01 -
0.01 0.99 1.56 1.81 1.99 1.82 1.55 1.26 1.13 1.51 0.38 0.03 0.96 2.09 0.2 1.92

488119 Homo sapiens clone 24589 mRNA sequence 1 81 0 -0.27 -0.51 -0.45 -0.43 1.18 1.35 1.49
1.51 1.01 0.6 0.49 0.99 -0.01 -0.62 -1.18 -0.45 -0.69 0.11

154211 EST R53619 1 80 0 0.34 -0.67 -0.18 -0.25 1.44 1.91 2.31 2.3 1.47 1.33 1.2
1.48 0.14 0.11 -0.09 0.76 0.53 1.72

488223 SID488223 Homo sapiens down syndrome candiate region 1 (DSCR1) gene, alternative exon 1, complete cds
1 79 0 -0.36 -0.6 -0.38 0.08 0.8 1.91 2.42 2.21 1.09 1.29 0.95 0.96 0.06 -0.49 -0.18
-0.01 0.34 1.12

286249 Vimentin 1 78 0 -0.12 -0.04 -0.15 -0.27 0.93 1.91 2.31 2.11 1.21 1.14 0.91
1.17 0.2 -0.17 -0.67 -0.32 0.1 1.24

416842 EST W86798 1 77 0 0.19 -0.06 -0.03 0.58 1.67 2.44 3.26 3.01 2.16 1.59 1.07
1.87 0.12 0.06 0.15 2.4 0.08 1.54

470934 Plasminogen activator inhibitor-2, placental 1 76 0 -0.18 -0.14 0.34 0.49 2.16 4.12 4.04
3.25 2.88 2.15 1.99 1.66 -0.25 0.45 0.42 1.44 1.76 2.87

487863 Human transglutaminase mRNA, 3' untranslated region 1 75 0 -0.32 -0.79 -1.18 -0.81 -0.15
-0.09 0.58 0.48 0.34 0.86 0.81 -0.09 -0.22 -0.43 -0.04 -0.74 -0.25 -0.15

292082 ESTs, Highly similar to TRANSLOCON-ASSOCIATED PROTEIN, GAMMA SUBUNIT [*Rattus*

norvegicus]	1	74	0	0.42	-0.01	-0.32	0.33	0.16	0.64	1.04	1.29	1.32	1.4	1.21	0.55	-
0.03	0.18	-0.09	-0.23	0.03	0.55											
307325	Endothelial differentiation protein (edg-1)	1	73	0	-0.12	-0.1	-0.43	-0.43	0.23	0.7	1.36					
1.68	1.84	1.91	2.06	0.89	0.03	0.45	0.24	0.68	0.36	1.24						
356635	Stromal cell-derived factor 1	1	72	0	0.4	0.08	-0.3	0.78	1.86	2.05	2.31	2.48	2.77			
2.63	2.41	1.95	-0.12	0.19	-0.1	-0.03	-0.09	0.64								
232772	Human metallothionein I-B gene	1	71	0	-0.84	-0.4	-0.69	-0.14	0.93	1.11	1.9	1.38	2.28			
2.26	2.18	1.93	-0.43	0.08	0.52	0.24	0.26	1.63								
310739	Human elastin gene, partial cds and partial 3'UTR	1	70	0	-0.51	-0.3	-0.17	0.65	0.96	0.86						
1.3	1.24	1.45	1.39	1.16	0.48	-0.58	-0.23	0.03	-0.27	-0.69	0.43					
310449	Homo sapiens lysyl hydroxylase isoform 2 (PLOD2) mRNA, complete cds	1	69	0	-0.12	-0.03										
0.04	0.46	0.86	0.97	1.04	1.12	1.67	1.75	1.77	0.51	0	0.07	0.21	0.8	0.14	0.65	
487373	ATP SYNTHASE LIPID-BINDING PROTEIN P1 PRECURSOR	1	68	0	0.2	-0.1	0.23	0.83								
1.12	0.97	1.01	1.6	1.74	1.34	1.37	0.23	0.31	0.55	1.29	1.83	1.15	0.58			
510189	SID510189 HEAT SHOCK PROTEIN HSP 90-ALPHA	1	67	0	-0.1	-0.71	-0.34	-0.14	0.08							
0.46	0.83	0.92	0.81	0.58	0.54	0.86	-0.25	-0.51	-0.4	-0.76	-0.07	0.37				
486487	Phosphofructokinase, platelet	1	66	0	-0.45	-0.51	-0.45	0.06	0.39	0.31	0.69	0.9	0.76			
0.83	1.01	1.16	-0.22	-0.51	-0.3	0.03	0.26	0.85								
485184	Human leukemia virus receptor 1 (GLVR1) mRNA, complete cds	1	65	0	-0.07	-0.49	-0.04									
0.28	1.06	0.99	1.22	1.06	0.83	1.07	1.24	0.97	0.12	-0.22	0.18	0.1	-0.04	1.04		
484873	Cytochrome c-1	1	64	0	-0.07	-0.3	-0.04	0.49	0.39	0.44	1	0.98	1.06	1.06	1.15	
0.82	-0.09	0.2	0.34	0.66	0.82	0.65										
344083	SID344083 EST W73776	1	63	0	-0.17	-0.36	0.03	0	0.67	0.81	1.22	1.28	1.18	1.25		
1.29	0.83	-0.1	-0.18	-0.14	0.3	0.5	0.57									
297392	Metallothionein 1L	1	62	0	-0.4	-0.4	-0.17	0.14	0.82	1.24	1.78	1.58	2.17	1.88		
1.68	1.53	-0.45	-0.22	0.16	0.31	-0.12	1.6									
484963	Metallothionein from cadmium-treated cells	1	61	0	0.28	0.21	0.4	0.55	1.26	1.78	2.1					
1.99	2.3	1.83	1.57	1.4	-0.3	-0.04	0.36	0.72	-0.1	1.56						
271976	Prothymosin alpha	1	60	0	0.21	1.19	1.18	0.12	1.49	1.66	1.87	2.12	1.49	1.64		
1.34	1.18	1.23	0.58	0.77	0.33	-0.23	1.08									
110022	Cyclin D1 (PRAD1; parathyroid adenomatosis 1)	1	59	0	-0.06	0.34	-0.04	0.25	0.55	0.82						
0.96	1.26	1.21	0.86	0.61	0.42	0.42	-0.07	0.51	0.19	-0.34	0.25					
266995	SID266995 EST N23200	1	58	0	-0.23	0.16	0.14	-0.42	0.16	0.63	0.72	1.2	0.69	0.57		
0.58	0.12	0.2	0.1	0.11	-0.49	-0.34	0.26									
220183	SID220183 EST H85111	1	57	0	-0.43	0.31	0.2	-0.47	0.58	0.72	0.7	1.16	0.91	0.72		
0.72	0.3	0.03	0.07	0.23	0.04	-0.49	0.03									
232896	EST H73480	1	56	0	-0.45	-0.07	-0.1	-0.17	0.48	0.76	0.9	0.92	1.01	1.03	0.9	
0.21	-0.12	-0.25	-0.07	-0.14	-0.43	0.07										
214162	Metallothionein 1A	1	55	0	-0.47	0.04	-0.62	-0.67	0.21	0.8	0.91	0.99	1.02	1.14		
1.23	0.19	-0.2	0.12	0.45	-0.18	-0.3	0.34									
245990	Human metallothionein (MT)I-F gene	1	54	0	-0.84	0.1	-0.81	-0.32	0.54	1.42	1.43					
1.52	1.73	1.56	1.38	1.06	-0.12	0	0.81	0.11	-0.43	0.87						
31489	SID31489 Human mRNA for KIAA0165 gene, complete cds	1	53	0	-0.4	0.3	0.1	-1.12								
1.03	1.73	1.9	1.93	1.82	2.3	2.05	1.15	0.1	0.07	-0.18	0.67	0.18	0.9			
253397	SID253397 Human mRNA for KIAA0368 gene, partial cds	1	52	0	0.11	0.08	-0.09	0.01	0.4							
0.48	1.24	1.29	0.93	0.73	0.54	0.14	0.16	0.34	0.39	-0.17	0.24	-0.38				
325182	Cadherin 2, N-cadherin (neuronal)	1	51	0	-0.36	-0.18	-0.42	-0.56	0.74	0.99	1.43	1.76				
0.99	1.16	0.86	0.1	-0.22	0	-0.38	0.58	-0.22	-0.23							
296087	SID296087 Heparin cofactor II	1	50	0	-0.07	0.26	0.4	0.19	1.2	1.14	1.49	1.17	1.64			
1.29	1.34	0.9	0.2	0.31	0.95	0.99	0.12	1.2								
200577	SID200577 Human mRNA for KIAA0186 gene, complete cds	1	49	0	0.04	0.16	0	0.07								
1.08	1.68	1.84	1.89	1.67	1.75	1.6	-0.1	0.19	-0.06	0.12	0.07	-0.34	-0.56			
429460	EST H49897	1	48	0	0.1	-0.4	0.03	-0.15	1.84	2.15	2.77	2.81	2.87	2.57	2.36	
0.84	-0.18	-0.2	-0.38	0.43	-0.25	0.94										

130476 TISSUE FACTOR PATHWAY INHIBITOR 2 PRECURSOR 1 47 0 -0.15 0.2 0.61 0.29
2.41 2.95 3.55 3.44 3.47 3.54 3.46 1.29 0.28 0.06 0.24 1.44 0.25 1.25
130482 SID130482 EST R21877 1 46 0 -0.01 0.4 0.72 -0.42 2.53 3.09 3.32 3.21 3.63 3.19
3.14 0.79 0.38 0.31 0.51 1.37 -0.34 1.08
361247 TISSUE FACTOR PATHWAY INHIBITOR 2 PRECURSOR 1 45 0 0.19 0.32 0.31 0.72
2.85 4.17 4.4 3.49 3.93 3.78 2.68 1.16 0.24 -0.03 0.45 1.73 -0.4 1.1
510597 SID510597 Pyruvate kinase, muscle 1 44 0 -0.42 0.25 0.3 -0.38 -0.25 0.08 0.54 0.85
0.04 0.26 0.08 1.06 -0.14 0.42 0.49 -0.4 -0.01 0.58
510161 T-COMPLEX PROTEIN 1, EPSILON SUBUNIT 1 43 0 0.21 0.42 0.63 0.11 0.93 0.99
1.24 1.46 1 0.77 0.2 1.1 1.06 0.24 0.34 -0.07 -0.43 1.02
509643 SID509643 Human mRNA for KIAA0034 gene, complete cds 1 42 0 0.33 1.36 0.6 -0.03
0.24 0.77 1.36 1.7 0.46 0.52 0.1 0.6 0.52 1.27 0.9 0.59 0.54 0.52
343073 Homo sapiens regulator of G-protein signalling 12 (RGS12) mRNA, complete cds 1 41 0 0.1
0.89 0.63 0.1 0.51 0.68 1.2 1.34 0.19 0.21 -0.07 0.03 0.82 0.51 0.82 0.42 -0.38 0.31
428028 SID428028 ATP citrate lyase 1 40 0 -0.23 0.29 0.21 -0.06 0.21 0.46 0.94 0.83 -0.15
-0.15 -0.49 -0.2 0.2 0 0.38 0.19 -0.25 -0.45
487232 SID487232 Homo sapiens actin-binding protein homolog ABP-278 mRNA, complete cds 1 39 0
0.04 0.29 0.26 0 0.75 0.73 0.9 1.25 0.21 -0.3 0.07 0.29 0.88 0.01 0.53 0.14 -0.36 0.21
376725 SID376725 Tropomyosin alpha chain (skeletal muscle) 1 38 0 -0.03 0.43 0.83 0.25 0.43
0.44 0.78 1.36 0.42 0.21 0.14 -0.81 0.77 0.56 1.12 0.92 -0.25 -0.69
487394 Plasminogen activator inhibitor, type I 1 37 0 0.25 0.69 0.7 1.03 1.03 1.1 1.78 2.06
1.39 1.24 0.86 0.24 0.24 1.01 1.57 1.79 0.91 0.25
487418 Plasminogen activator inhibitor type I 1 36 0 0.28 1.51 1.1 1.03 1.56 1.58 2.17 2.3
1.12 0.93 0.44 -0.23 1.43 1.06 1.61 1.86 0.2 0.14
471649 DUAL SPECIFICITY MITOGEN-ACTIVATED PROTEIN KINASE KINASE 3 1 35 0 -0.06
0.23 -0.2 1.39 1.19 1.14 0.31 1.02 0.29 0.03 -0.18 0.36 0.15 0.31 1.08 1.48 0.11 0.91
486871 Human guanine nucleotide regulatory protein (NET1) mRNA, complete cds 1 34 0 -0.06 0.58
0.57 1.84 2.05 1.6 1.84 1.04 1.14 1.19 0.9 1.34 -0.04 -0.49 -0.79 0.63 0.36 0.87
486035 Homo sapiens HuUAP1 mRNA for UDP-N-acetylglucosamine pyrophosphorylase, complete cds 1 33
0 0.11 -0.12 0.61 0.93 1.7 1.24 0.82 0.78 1.11 0.82 0.88 0.72 0.03 0.58 1.91 2.92 1.41
1.57
325077 Plasminogen activator, urokinase receptor 1 32 0 -1.36 0.49 0.8 1.05 1.66 1.93 2.12
1.57 1.06 0.77 0.53 0.7 0.31 0.3 0.7 0.85 0 0.82
306147 SID306147 EST N90531 1 31 0 -0.12 0.03 0.71 1.24 1.59 1.24 1.61 0.81 0.76 0.6
0.69 0.42 0.07 0.53 0.9 1.53 1.7 1.62
137318 EST R36703 1 30 0 -0.09 -0.09 0.73 1.43 2.13 1.61 1.46 1.1 0.57 0.79 0.42 -
0.04 0.16 0.95 1.37 2.52 1.35 2.08
37054 Coagulation factor III (thromboplastin, tissue factor) 1 29 0 0.07 -0.4 0.61 1.69 2.15 1.85
1.4 1.15 0.85 0.48 0.25 0.71 -0.01 0.67 1.27 2.19 1.55 2.1
136590 Coagulation factor III (thromboplastin, tissue factor) 1 28 0 0.08 0.3 1.24 1.27 1.71 1.91
1.26 0.72 0.69 1.06 0.89 -0.22 0.43 0.7 1.12 2.27 1.6 2.2
147050 Prostaglandin-endoperoxide synthase 2 (prostaglandin G/H synthase and cyclooxygenase) 1 27 0
0.24 2.47 3.57 1.95 4.82 4.33 4.05 3.26 1.72 2.56 3.06 1.37 2.54 3.61 4.02 4.62 2.87
3.69
323946 Inhibitor of DNA binding 3, (ID3) 1 26 0 -0.4 0.51 1.85 2.52 1.69 1.38 2.94 2.83
2.35 2.04 2.31 2.02 0.82 1.91 2.42 2.82 0.21 2.67
309893 Prothymosin alpha 1 25 0 0.49 0.75 1.06 1.67 0.51 0.46 0.71 0.8 1.22 1.13
1.42 1.86 0.83 0.93 1.14 1.18 0.24 1.93
489282 Human TGF-beta inducible early protein (TIEG) mRNA, complete cds 1 24 0 -0.36 -0.6
2.23 2.39 0.21 0.83 1.2 0.72 0.83 0.54 0.67 0.76 0 1.81 2.9 3.56 1.2 1.88
512204 SID512204 ESTs, Highly similar to AAC-RICH MRNA CLONE AAC3 PROTEIN [Dictyostelium
discoideum] 1 23 0 0.07 -0.23 0.26 1.04 1.22 0.96 1.41 0.73 -0.49 -0.62 -0.58 -0.42 -0.18
0.08 0.77 1.74 0.49 -0.81
487513 Connective tissue growth factor 1 22 0 0.01 -0.36 0.23 0.9 0.68 0.4 0.89 0.62 -0.06

-0.6 -0.56 -1.74 0.08 0.55 1.29 1.84 1.47 -0.45
489156 SID489156 EST AA056549 1 21 0 0.04 0.92 0.55 0.11 0.04 0.03 0.96 0.85 -
0.62 -0.4 -0.71 -0.54 0.3 1.11 0.89 0.66 0.44 -0.42
248589 SERINE/THREONINE-PROTEIN KINASE SGK 1 20 0 0.58 1.24 1.86 1.72 0.42 1.19
0.86 0.82 0.03 -0.01 0.06 -0.47 1.49 2.5 3.4 4.21 1.42 1.55
268652 CYCLIN-DEPENDENT KINASE INHIBITOR 1 1 19 0 -0.56 0.06 0.23 -0.25 0.2 -0.2
-0.4 -0.76 -0.71 -0.67 -0.27 -1.25 -0.03 0.39 0.99 0.96 1.32 -0.38
512337 SID512337 Ribosomal protein S5 1 18 0 -0.15 0.25 1.37 0.08 0.31 0.82 0.59 -0.29 -
0.2 -0.12 -0.47 0.34 0.9 0.12 0.34 -0.14 0.14 0.11
323151 Mitogen induced nuclear orphan receptor (MINOR) 1 17 0 -0.12 0.08 2.72 2.55 2.43 1.06
0.56 0.21 -0.14 -0.27 -0.29 0.06 -0.27 2.58 3.42 3.8 0.2 0.26
469297 SID469297 Homo sapiens mRNA for DEC1 complete cds 1 16 0 -0.47 -0.64 1.79 0.9
0.61 0.65 0.38 -0.3 -0.71 -0.47 -0.4 -0.29 -0.07 0.99 2.24 2.35 1.74 0.44
471556 IEX-1 1 15 0 -0.3 0.19 2.16 2.5 2.1 1.37 1.18 0.03 0.15 0.23 0.16 0.52 0.75
2.06 2.56 3.39 3.05 2.55
309477 Jun B proto-oncogene 1 14 0 1.18 1.4 2.68 3 1.74 0.91 0.89 0.21 0.14 -0.03 -
0.2 0.68 1.36 2.34 2.5 3.21 2.18 2.33
486660 Myeloid cell leukemia sequence 1 (BCL2-related) 1 13 0 0.19 1.1 1.38 1.34 0.79 1.14
1.05 0.24 -0.09 -0.09 -0.12 0.36 0.89 2.14 2.92 3.58 1.09 1.54
145093 Myeloid cell leukemia sequence 1 (BCL2-related) 1 12 0 0.2 1.75 2.11 1.68 2.21 1.96
1.28 0.49 0.1 -0.01 0.26 0.53 2.23 2.65 3.73 4.17 1.42 2.33
488548 SID488548 Human pre-B cell enhancing factor (PBEF) mRNA, complete cds 1 11 0 0.1 0.83
1.45 1.48 1.63 1.94 1.82 0.85 0.11 0.06 -0.27 0.77 0.24 1.36 2.41 2.83 0.57 1.3
47359 Endothelin 1 {alternative products} 1 10 0 0.45 1.04 1.96 1.78 1.79 2.01 2.01 1.14
0.54 -0.25 -0.12 -0.2 1.94 2.8 3.67 4.1 2.49 2.65
310406 Interleukin 6 (B cell stimulatory factor 2) 1 9 0 0.72 1.59 2.34 3.52 3.65 3.38 3.4
1.77 0.2 -0.22 -0.22 0.16 1.85 3.25 3.86 4.78 3.02 3.06
489258 TGF-beta inducible early protein 1 8 0 -0.04 0.7 1.87 2.35 -0.12 0.88 1.41 1.1
0.31 0.3 0.07 0.66 0.04 1.64 2.6 3.23 0.58 1.26
472138 SERINE/THREONINE-PROTEIN KINASE SGK 1 7 0 0.89 1.06 1.99 1.76 0.37 1.18
1.45 1.11 0.26 -0.04 -0.15 -0.15 1.63 2.5 3.36 4.02 1.63 1.82
510381 DNA-binding protein CPBP (CPBP) 1 6 0 0.41 1.52 1.62 0.89 0.96 0.91 0.81 0.53
0.21 0.43 0.57 0.7 1.01 2.37 2.53 3 1.94 2.44
361263 MAP KINASE PHOSPHATASE-1 1 5 0 0.38 1.48 2.38 1.56 1.21 1.62 1.47 0.9
0.82 0.73 0.78 0.41 1.76 2.6 3.2 3.48 2.8 2.57
360307 MAP KINASE PHOSPHATASE-1 1 4 0 1.27 1.84 2.84 2.28 1.63 1.84 1.97 1.19
1.13 1.11 1.16 -0.06 2.11 2.93 3.36 3.87 3.96 3.03
417503 MAP KINASE PHOSPHATASE-1 1 3 0 1.06 1.75 2.46 2.29 1.61 1.71 2.1 1.44
1.1 1.04 1.17 0.21 1.91 2.85 3.45 3.79 3.62 2.79
417357 MAP KINASE PHOSPHATASE-1 1 2 0 0.6 2.13 2.81 2.45 1.55 1.97 2.15 1.26
0.98 1.14 0.84 0.12 1.89 3.01 3.29 3.95 3.56 2.95
417487 MAP KINASE PHOSPHATASE-1 1 1 0 1.17 2.22 2.99 2.57 1.91 2.16 2.2 1.28
0.9 0.65 0.33 0.01 1.77 2.84 3.11 3.77 3.02 2.78